

## Évaluation des performances de différentes méthodes de classification par analyse de texture en IRM pour différencier adénome hépatocellulaire et hyperplasie nodulaire focale

Nicolas de Abreu

## ► To cite this version:

Nicolas de Abreu. Évaluation des performances de différentes méthodes de classification par analyse de texture en IRM pour différencier adénome hépatocellulaire et hyperplasie nodulaire focale. Médecine humaine et pathologie. 2021. dumas-03281769

## HAL Id: dumas-03281769 https://dumas.ccsd.cnrs.fr/dumas-03281769v1

Submitted on 8 Jul 2021

**HAL** is a multi-disciplinary open access archive for the deposit and dissemination of scientific research documents, whether they are published or not. The documents may come from teaching and research institutions in France or abroad, or from public or private research centers. L'archive ouverte pluridisciplinaire **HAL**, est destinée au dépôt et à la diffusion de documents scientifiques de niveau recherche, publiés ou non, émanant des établissements d'enseignement et de recherche français ou étrangers, des laboratoires publics ou privés.



### UNIVERSITÉ CLERMONT AUVERGNE

UFR DE MÉDECINE ET DES PROFESSIONS PARAMÉDICALES

### THÈSE D'EXERCICE

#### pour le

### DIPLÔME D'ÉTAT DE DOCTEUR EN MÉDECINE

par

**DE ABREU Nicolas** 

### Présentée et soutenue publiquement le 5 juillet 2021

Evaluation des performances de différentes méthodes de classification par analyse de texture en IRM pour différencier adénome hépatocellulaire et hyperplasie nodulaire focale

<u>Directeur de thèse :</u> Monsieur MAGNIN Benoit, Praticien Hospitalier Universitaire, Radiologie et imagerie médicale, CHU Clermont-Ferrand

<u>Président du jury</u>: Monsieur BOYER Louis, Professeur, Radiologie et imagerie médicale, CHU Clermont-Ferrand

Membres du jury :

Monsieur GARCIER Jean-Marc, Professeur, Radiologie et imagerie médicale, CHU Clermont-Ferrand

Monsieur ABERGEL Armand, Professeur, Hépato-gastro-entérologie, CHU Clermont-Ferrand

Madame HORDONNEAU Constance, Praticien Hospitalier, Radiologie et imagerie médicale, CHU Clermont- Ferrand

N°



### UNIVERSITÉ CLERMONT AUVERGNE

UFR DE MÉDECINE ET DES PROFESSIONS PARAMÉDICALES

## THÈSE D'EXERCICE

### pour le

## DIPLÔME D'ÉTAT DE DOCTEUR EN MÉDECINE

par

**DE ABREU Nicolas** 

## Présentée et soutenue publiquement le 5 juillet 2021

Evaluation des performances de différentes méthodes de classification par analyse de texture en IRM pour différencier adénome hépatocellulaire et hyperplasie nodulaire focale

<u>Directeur de thèse :</u> Monsieur MAGNIN Benoit, Praticien Hospitalier Universitaire, Radiologie et imagerie médicale, CHU Clermont-Ferrand

<u>Président du jury</u>: Monsieur BOYER Louis, Professeur, Radiologie et imagerie médicale, CHU Clermont-Ferrand

Membres du jury :

Monsieur GARCIER Jean-Marc, Professeur, Radiologie et imagerie médicale, CHU Clermont-Ferrand

Monsieur ABERGEL Armand, Professeur, Hépato-gastro-entérologie, CHU Clermont-Ferrand

Madame HORDONNEAU Constance, Praticien Hospitalier, Radiologie et imagerie médicale, CHU Clermont- Ferrand

N٥

UNIVERSITE CLERMONT AUVERGNE

## : VEYRE Annie : ESCHALIER Alain : CABANES Pierre : FONTAINE Jacques : BOUTIN Christian : ODOUARD Albert PRESIDENT DE L'UNIVERSITE et PRESIDENT DU CONSEIL ACADEMIQUE PLENIER : **BERNARD** Mathias PRESIDENT DU CONSEIL ACADEMIQUE RESTREINT VICE-PRESIDENT DU CONSEIL D'ADMINISTRATION VICE-PRESIDENT DE LA COMMISSION DE LA RECHERCHE : HENRARD Pierre VICE PRESIDENTE DE LA COMMISSION DE LA FORMATION ET DE LA VIE UNIVERSITAIRE DIRECTRICE GENERALE DES SERVICES

 $\diamond \diamond \diamond \diamond \diamond$ 

## **UFR DE MEDECINE**

## **ET DES PROFESSIONS PARAMEDICALES**

**DOYENS HONORAIRES** 

DOYEN

**RESPONSABLE ADMINISTRATIVE** 

- : DETEIX Patrice
- : CHAZAL Jean
- : CLAVELOU Pierre
- : **ROBERT** Gaëlle

PRESIDENTS HONORAIRES UNIVERSITE BLAISE PASCAL

PRESIDENTS HONORAIRES

UNIVERSITE D'AUVERGNE

**UFR DE MÉDECINE** 

Université Clermont Auvergne

ET DES PROFESSIONS PARAMÉDICALES

- : JOYON Louis
- : DOLY Michel
- : TURPIN Dominique
- : DULBECCO Philippe
- : MONTEIL Jean-Marc
- : LAVIGNOTTE Nadine
- : **DEQUIEDT** Vianney : WILLIAMS Benjamin

: PEYRARD Françoise

: PAQUIS François

### LISTE DU PERSONNEL ENSEIGNANT

#### **PROFESSEURS HONORAIRES :**

MM. BACIN Franck - BEGUE René-Jean - BOUCHER Daniel - BOURGES Michel - BUSSIEREJean-Louis -CANO Noël - CASSAGNES Jean - CATILINA Pierre - CHABANNES Jacques – CHAZAL Jean - CHIPPONI Jacques - CHOLLET Philippe - COUDERT Jean - DASTUGUE Bernard - DAUPLAT Jacques – DECHELOTTE Pierre - DEMEOCQ François - DE RIBEROLLES Charles - ESCANDE Georges -Mme FONCK Yvette - MM. GENTOU Claude - GLANDDIER Gérard - Mme GLANDDIER Phyllis – M. JACQUETIN Bernard – Mme LAVARENNE Jeanine - MM. LAVERAN Henri - LESOURD Bruno - LEVAI Jean-Paul - MAGE Gérard - MALPUECH Georges - MARCHEIX Jean-Claude - MICHEL Jean-Luc -MOLINA Claude - MONDIE Jean-Michel - PERI Georges - PETIT Georges - PHILIPPE Pierre - PLAGNE Robert - PLANCHE Roger - PONSONNAILLE Jean - REY Michel - Mme RIGAL Danièle - MM. ROZAN Raymond - SCHOEFFLER Pierre - SIROT Jacques - SOUTEYRAND Pierre - TANGUY Alain - TERVER Sylvain - THIEBLOT Philippe - TOURNILHAC Michel - VANNEUVILLE Guy - VIALLET Jean-François - Mle VEYRE Annie

#### **PROFESSEURS EMERITES :**

MM. AUMAITRE Olivier - BOITEUX Jean-Paul - CHAMOUX Alain - DUBRAY Claude - ESCHALIER Alain - KEMENY Jean-Louis – LABBE André - Mme LAFEUILLE Hélène - MM. LEMERY Didier - LUSSON Jean-René

#### **PROFESSEURS DES UNIVERSITES-PRATICIENS HOSPITALIERS**

#### **CLASSE EXCEPTIONNELLE**

M. VAGO Philippe M. AVAN Paul M. DURIF Franck M. BOIRE Jean-Yves Technologies de Communication M. BOYER Louis Clinique M. POULY Jean-Luc M. CANIS Michel Mme PENAULT-LLORCA Frédérique M. BAZIN Jean-Etienne M. BIGNON Yves Jean M. BOIRIE Yves Histologie-Embryologie Cytogénétique Biophysique et Traitement de l'Image Neurologie Biostatistiques, Informatique Médicale et

Radiologie et Imagerie Médicale option

Gynécologie et Obstétrique Gynécologie-Obstétrique Anatomie et Cytologie Pathologiques Anesthésiologie et Réanimation Chirurgicale Cancérologie option Biologique Nutrition Humaine M. CLAVELOU Pierre M. GILAIN Laurent M. LEMAIRE Jean-Jacques M. CAMILLERI Lionel M. DAPOIGNY Michel M. LLORCA Pierre-Michel

M. PEZET Denis M. SOUWEINE Bertrand M. BOISGARD Stéphane Mme DUCLOS Martine M. SCHMIDT Jeannot M. BERGER Marc M. GARCIER Jean-Marc M. ROSSET Eugénio M. SOUBRIER Martin M. ABERGEL Armando MIE BARTHELEMY Isabelle M. RUIVARD Marc Neurologie O.R.L. Neurochirurgie Chirurgie Thoracique et Cardio-Vasculaire Gastro-Entérologie Psychiatrie d'Adultes

Chirurgie Digestive Réanimation Médicale Chirurgie Orthopédique et Traumatologie Physiologie Médecine d'Urgence Hématologie Anatomie-Radiologie et Imagerie Médicale Chirurgie Vasculaire Rhumatologie Hépatologie Chirurgie Maxillo-Faciale Médecine Interne

### 1ère CLASSE

M. CAILLAUD Denis M. VERRELLE Pierre M. D'INCAN Michel Mme JALENOUES Isabelle **GERBAUD** Laurent et Prévention M. TAUVERON Igor M. MOM Thierry M. RICHARD Ruddy M. SAPIN-DEFOUR Vincent M. BAY Jacques-Olivier M. COUDEYRE Emmanuel Mme GODFRAIND Catherine M. LAURICHESSE Henri M. TOURNILHAC Olivier M. CHIAMBARETTA Frédéric FILAIRE Marc Cardio-Vasculaire M. GALLOT Denis M. GUY Laurent M. TRAORE Ousmane M. ANDRE Marc M. BONNET Richard **M. CACHIN Florent** M. COSTES Frédéric

Pneumo-phtisiologie Radiothérapie option Clinique Dermatologie -Vénéréologie Psychiatrie d'Adultes Epidémiologie, Economie de la Santé

Endocrinologie et Maladies Métaboliques Oto-Rhino-Laryngologie Physiologie Biochimie et Biologie Moléculaire Cancérologie Médecine Physique et de Réadaptation Anatomie et Cytologie Pathologiques Maladies Infectieuses et Tropicales Hématologie Ophtalmologie Anatomie – Chirurgie Thoracique et

Gynécologie-Obstétrique Urologie Hygiène Hospitalière Médecine Interne Bactériologie, Virologie Biophysique et Médecine Nucléaire Physiologie M. FUTIER Emmanuel Mme HENG Anne-Elisabeth M. MOTREFF Pascal Mme PICKERING Gisèle M. RABISCHONG Benoît M. CHABROT Pascal M. DESCAMPS Stéphane Mme HENQUELL Cécile M. POMEL Christophe Anesthésiologie-Réanimation Néphrologie Cardiologie Pharmacologie Clinique Gynécologie Obstétrique Radiologie et Imagerie Médicale Chirurgie Orthopédique et Traumatologique Bactériologie Virologie Cancérologie – Chirurgie Générale

#### 2ème CLASSE

Mme CREVEAUX Isabelle M. FAICT Thierry **KANOLD LASTAWIECKA Justyna** M. TCHIRKOV Andréï **M. CORNELIS Francois M. LESENS Olivier** M. AUTHIER Nicolas M. BROUSSE Georges M. BUC Emmanuel M. LAUTRETTE Alexandre **Mme BRUGNON Florence** la Reproduction M. ESCHALIER Romain M. MERLIN Etienne Mme TOURNADRE Anne M. DURANDO Xavier M. DUTHEIL Frédéric Mme FANTINI Maria Livia M. SAKKA Laurent M. BOURDEL Nicolas M. GUIEZE Romain M. POINCLOUX Laurent M. SOUTEYRAND Géraud M. EVRARD Bertrand M. POIRIER Philippe Mme PHAM DANG Nathalie **Mme SARRET Catherine** 

Biochimie et Biologie Moléculaire Médecine Légale et Droit de la Santé Mme Pédiatrie Cytologie et Histologie Génétique Maladies Infectieuses et Tropicales Pharmacologie Médicale Psychiatrie Adultes/Addictologie **Chirurgie Digestive** Néphrologie Réanimation Médicale Biologie et Médecine du Développement et de Cardiologie Pédiatrie Rhumatologie Cancérologie Médecine et Santé au Travail Neurologie Anatomie – Neurochirurgie

Pédiatrie Rhumatologie Cancérologie Médecine et Santé au Travail Neurologie Anatomie – Neurochirurgie Gynécologie-Obstétrique Hématologie Gastroentérologie Cardiologie Immunologie Parasitologie et Mycologie Chirurgie Maxillo-Faciale et Stomatologie Pédiatrie

#### **PROFESSEURS DES UNIVERSITES DE MEDECINE GENERALE**

### 1ère CLASSE

M. CLEMENT Gilles M. VORILHON Philippe Médecine Générale Médecine Générale

#### **PROFESSEURS DES UNIVERSITES**

#### 2ème CLASSE

Mme MALPUECH-BRUGERE Corinne

**Nutrition Humaine** 

#### **PROFESSEURS ASSOCIES DES UNIVERSITES**

Mme BOTTET-MAULOUBIER Anne M. CAMBON Benoît M. TANGUY Gilles Médecine Générale Médecine Générale Médecine Générale

#### **MAITRES DE CONFERENCES DES UNIVERSITES -**

### **PRATICIENS HOSPITALIERS**

### HORS CLASSE

Mme CHAMBON Martine Mme BOUTELOUP Corinne Mme FOGLI Anne Mle GOUAS Laetitia Bactériologie Virologie Nutrition Biochimie Biologie Moléculaire Cytologie et Histologie, Cytogénétique

#### 1ère CLASSE

M. MORVAN Daniel Mle GOUMY Carole M. MARCEAU Geoffroy Mme MINET-QUINARD Régine M. ROBIN Frédéric Mle VERONESE Lauren M. DELMAS Julien Mle MIRAND Audrey M.OUCHCHANE Lemlih

M. LIBERT Frédéric Mle COSTE Karen Mle AUMERAN Claire Mme CASSAGNES Lucie M. LEBRETON Aurélien M. BUISSON Anthony M. BOUVIER Damien Biophysique et Traitement de l'Image Cytologie et Histologie, Cytogénétique Biochimie Biologie Moléculaire **Biochimie Biologie Moléculaire** Bactériologie Cytologie et Histologie, Cytogénétique Bactériologie Bactériologie Virologie Biostatistiques, Informatique Médicale et Technologies de Communication Pharmacologie Médicale Pédiatrie Hygiène Hospitalière Radiologie et Imagerie Médicale Hématologie Gastroentérologie Biochimie et Biologie Moléculaire

M.MAQDASY Salwan

Mme NOURRISSON Céline Mme PONS Hanaë Endocrinologie, Diabète et Maladies Métaboliques Parasitologie - Mycologie Biologie et Médecine du Développement et de la Reproduction

### 2ème CLASSE

M. JABAUDON-GANDET Matthieu M. COLL Guillaume M. GODET Thomas

M. LACHAL Jonathan M. MOUSTAFA Farès Anesthésiologie – Réanimation Chirurgicale Neurochirurgie Anesthésiologie-Réanimation et Médecine Péri-Opératoire Pédopsychiatrie Médecine d'Urgence

MAITRES DE CONFERENCES DES UNIVERSITES DE MEDECINE GENERALE

#### 1ère CLASSE

Mme VAILLANT-ROUSSEL Hélène

Médecine Générale

2ème CLASSE

Mme LAPORTE Catherine

Médecine Générale

**MAITRES DE CONFERENCES DES UNIVERSITES** 

### HORS CLASSE

M. BLANCHON Loïc M. MARCHAND Fabien Mme VAURS-BARRIERE Catherine Biochimie Biologie Moléculaire Pharmacologie Médicale Biochimie Biologie Moléculaire

CLASSE NORMALE

M. BAILLY Jean-Luc Mle AUBEL Corinne Mle GUILLET Christelle M. BIDET Yannick M. DALMASSO Guillaume M. PIZON Frank M. SOLER Cédric M. GIRAUDET Fabrice M. LOLIGNIER Stéphane

Bactériologie Virologie Oncologie Moléculaire Nutrition Humaine Oncogénétique Bactériologie Santé Publique Biochimie Biologie Moléculaire Biophysique et Traitement de l'Image Neurosciences – Neuropharmacologie Mme MARTEIL Gaëlle M. PINEL Alexandre Biologie de la Reproduction Nutrition Humaine

## MAITRES DE CONFERENCES ASSOCIES DES UNIVERSITES

M. BERNARD Pierre Mme ESCHALIER Bénédicte Mme RICHARD Amélie M. TESSIERES Frédéric Mme ROUGE Laure Médecine Générale Médecine Générale Médecine Générale Médecine Générale Médecine Générale

## A NOTRE PRESIDENT DE THESE

## À Monsieur le Professeur BOYER Louis,

Cher Professeur, cher Maître, Je vous remercie de me faire l'honneur de présider ce jury.

Vous m'avez offert l'opportunité d'exercer un travail passionnant, je vous remercie de votre bienveillance au cours de ces dernières années.

Je vous suis infiniment reconnaissant pour votre enseignement, ainsi que de votre implication auprès de chacun d'entre nous. Votre passion pour notre spécialité est un exemple à suivre pour tous.

Recevez par ce travail le témoignage de mon profond respect.

## <u>A NOTRE JURY DE THESE</u>

## À Monsieur le Professeur GARCIER Jean-Marc,

Cher Professeur, cher Maître, c'est pour moi un honneur de pouvoir vous compter dans mon jury de thèse. Je vous remercie de m'avoir accueilli dans votre service où j'ai eu la chance de pouvoir profiter de votre enseignement en radio-pédiatrie, en anatomie et en contrepèterie.

Merci pour votre humanité, votre gentillesse, votre humour et votre capacité à enseigner.

Recevez par ce travail le témoignage de ma reconnaissance et de mon sincère respect.

## À Monsieur le Professeur ABERGEL Armand,

Cher Professeur, cher Maître, Je vous remercie d'avoir accepté de juger mon travail.

Recevez par ce travail le témoignage de mon sincère respect.

## À Monsieur le Docteur MAGNIN Benoit, mon directeur de thèse

Je te suis sincèrement reconnaissant, merci pour tout. Merci de diriger ce travail et d'avoir eu confiance en moi. Merci d'avoir gardé foi en notre travail malgré les obstacles auxquels nous avons dû faire face.

Ton exemplarité, ta gentillesse et ton implication au travail devraient être un modèle pour nous tous, je te souhaite d'atteindre tes objectifs de carrière.

Enfin merci pour ces 6 mois passé auprès de toi.

J'espère pouvoir par ce travail te témoigner ma profonde admiration.

## À Madame le Docteur HORDONNEAU Constance,

Je te remercie infiniment d'avoir accepté de participer à ce travail de thèse et à mon jury.

Merci également pour ces 6 mois où j'ai eu la chance de profiter de ton enseignement. Tu es pour moi un exemple de rigueur et de conscience professionnelle.

Ce serait un réel plaisir de retravailler auprès de toi.

J'espère pouvoir te témoigner par ce travail mon profond respect et ma reconnaissance.

## DEDICACES PERSONNELLES

A toi Estelle qui me supporte depuis toutes ces années et qui devra encore le faire ...

A ma famille, mes parents, mes grands-parents, mes frères, ma sœur, mes oncles et tantes, qui m'auront soutenu et qui ont toujours cru en moi

A mes co-internes de radiologie, vous êtes un rayon de soleil quotidien, notamment Margot, Valentine, Constance, John, Sami, Guillaume, Arnaud, Julien...

A mes co-internes qui ne sont pas radiologues mais qui sont quand même géniaux, notamment Rémi, Antoine, Guillaume.

Merci à mes chefs successifs qui entre quelques bêtises m'auront également appris la beauté de notre métier de radiologue, Antoine, Arnaud, Pierre, Anne flore, Sonia, Camélia, Mihai, Rim, Clément, Greg, Chris, Raph, Marie, Benoit C, Laura, Manu, Rahim, Eli, Quentin, Philippe, Paul et tous les autres,

A mes collègues de l'externat qui ont su rester présents ces dernières années, Benji, François, Dara, Olivier, Flo.

Aux manipulateurs radio et à mes autres collègues de ces cinq dernières années.

## TABLE DES MATIERES

INTRODUCTION	17
PARTIE I : ETAT DES LIEUX HNF ET ADENOMES	
HNF	
Epidémiologie	
Pathogénie et anatomopathologie :	
Facteurs de risque :	
Complications :	
Adenome	
Epidémiologie :	
Pathogénie et anatomopathologie :	
Facteurs de risque :	
Complications :	
IMAGERIE	
IRM	
Autres types d'imagerie	
STRATEGIE DIAGNOSTIQUE	
HNF	
Adénome	
STRATEGIE DE PRISE EN CHARGE	
HNF :	
Adénome :	
PARTIE II : LA RADIOMIQUE	
Definition	
Methodologie	
Etape 1 : l'acquisition des images	
Etape 2 : Segmentation	
Etape 3 : Pré-traitement	
Etape 4 : Extraction des données	
Etape 5 : Sélection des paramètres	
Etape 6 : La classification	
Etape 7 : La validation	
LIMITES :	
PARTIE III : ARTICLE	46
INTRODUCTION	
Materiel et methodes	
Population	
Acquisition IRM	
Etude qualitative des images	
Segmentation	
Extraction de paramètres de texture	
Reproductibilité et sélection de paramètres	
Validation croisée – séparation des données	
Correction de l'effet multi IRM	
Equilibration des classes	

Normalisation des paramètres	
Sélection de paramètres	52
Classification	52
LLCER	
Traitement des données et analyse statistique	
RESULTATS	
Population de l'étude	
Analyse qualitative des images	55
Reproductibilité	56
Performance des méthodes de classification HNF vs adénome	56
Performance du sous typage d'adénomes	
Performance LLCER	58
Discussion	
Conclusion	60
CONCLUSION	62
BIBLIOGRAPHIE :	63
ANNEXES	69
SERMENT D'HIPPOCRATE	72

## TABLE DES ILLUSTRATIONS

FIGURE 1 : COUPES HISTOLOGIQUE D'UNE HNF RETROUVANT UNE CICATRICE STELLAIRE AVEC DES ARTERES	
EPAISSIES (*) ET DES TRAVEES FIBREUSES (FLECHES).(9)	19
Figure 2 : Etude immunohistochimique d'un adenome steatosique. NT : foie non tumoral, T :	
LESION TUMORALE. ABSENCE D'EXPRESSION DE L-FABP EN FAVEUR D'UNE MUTATION HNF-1-A (B) (2	'1) 21
FIGURE 3 : SUREXPRESSION TUMORALE (T) DE CRP COMPRATIVEMENT AU FOIE NON TUMORAL (NT) (21)	22
FIGURE 4 : ADENOME PRESENTANT UN BANDE DE FORTE SUREXPRESSION DE GLUTAMINE SYNTHETASE (21)	23
FIGURE 5 : ADENOME PRESENTANT UNE SUREXPRESSION PEU MARQUEE ET HETEROGENE DE GLUTAMINE	
SYNTHETASE(21)	23
FIGURE 6: ASPECT TYPIQUE EN IRM D'UNE HNF. PONDERATION T2 FS (A), T1 SANS IV (B) A LA PHASE	
ARTERIELLE (C) ET A LA PHASE PORTALE (D) (36)	27
Figure 7 : Aspect typique en IRM d'un adenome steatosique. Ponderation T1 en phase et en	
OPPOSITION DE PHASE (A ET B) RETROUVANT UNE CHUTE HOMOGENE DU SIGNAL. FAIBLE REHAUSSEME	NT
ARTERIEL (C) ET UN WASHOUT PORTAL (D) (18)	28
FIGURE 8 : ASPECT TYPIQUE EN IRM D'UN ADENOME INFLAMMATOIRE. PONDERATION T2 (A), T1 SANS IV (	В),
A LA PHASE ARTERIELLE (C), PORTALE (D) ET HEPATOBILIAIRE. (18)	29
FIGURE 9 : EXEMPLE DE "L'ATOLL SIGN" EN PONDERATION T2(18)	29
FIGURE 10 : IRM A LA PHASE HEPATOBILIAIRE. HYPERSIGNAL D'UNE HNF (A). HYPOSIGNAL D'UN ADENOME	
(B)(41)	31
FIGURE 11 : ASPECT TYPIQUE EN ECHOGRAPHIE DE CONTRASTE D'UNE HNF(47)	31
FIGURE 12 : STRATEGIE DIAGNOSTIQUE POUR UNE HNF SELON L'EASL(4)	33
FIGURE 13 : STRATEGIE DIAGNOSTIQUE POUR LES ADENOMES SELON L'EASL(4)	34
FIGURE 14: RESUME DES ETAPES METHODOLOGIQUES DE RADIOMIQUE	37
FIGURE 15 : EXEMPLE DE SEGMENTATION AVEC LE LOGICIEL 3D-SLICER	38
FIGURE 16 : EXEMPLE D'EXTRACTION DES PARAMETRES DE TEXTURE A L'AIDE DU LOGICIEL 3D SLICER	39
FIGURE 17 : ILLUSTRATION DES PARAMETRES DE TEXTURE DE PREMIER ORDRE(53)	40
FIGURE 18 : ILLUSTRATION DE LA MATRICE GLCM	41
FIGURE 19 : ILLUSTRATION DE LA MATRICE GLSZM	41
FIGURE 20: ILLUSTRATION DE LA MATRICE GLRLM	41
FIGURE 21: ILLUSTRATION DE L'ALGORITHME KNN(70)	44
FIGURE 22: ORGANIGRAMME DE LA SELECTION DE LA POPULATION FINALE (FNH : HYPERPLASIE NODULAIRE	
FOCALE ; HCA : ADENOME HEPATOCELLULAIRE)	49
FIGURE 23 : EXEMPLE DE SEGMENTATION D'UN ADENOME INFLAMMATOIRE A L'AIDE DU LOGICIEL 3D SLICER	50
FIGURE 24 : SCHEMA DU MODELE METHODOLOGIQUE	53

## TABLE DES TABLEAUX

TABLEAU I : RESUME DES DIFFERENTS SOUS-TYPES D'ADENOME (18) 25
TABLEAU II : PARAMETRES QUALITATIFS DES HNF ET ADENOMES
TABLEAU III : RESUME DES PERFORMANCES DIAGNOSTIQUES DU CLASSIFICATEUR KNN [ACC MIN= PERFORMANCE
minimale (nombre de lesions bien classees/ nb total de lesion) ; Sen min = sensibilite minimale ;
SPE MIN = SPECIFICITE MINIMALE ; BAL ACC MIN = MOYENNE DES SENSIBILITE ET SPECIFICITE MINIMALE]57
TABLEAU IV : FREQUENCE ET VALEUR DES 10 PARAMETRES DE TEXTURE LES PLUS FREQUEMMENT SELECTIONNEES
APRES NORMALISATION (SUR 27 SELECTIONS MAXIMALES POSSIBLES)58
TABLEAU V : RESUME DES PERFORMANCES DIAGNOSTIQUES DU RAPPORT LLCER [ACC MIN= PERFORMANCE
minimale (nombre de lesions bien classees/ nb total de lesion) ; Sen min = sensibilite minimale ;
SPE MIN = SPECIFICITE MINIMALE ; BAL ACC MIN = MOYENNE DES

## **ABREVATIONS**

ADC : Apparent Diffusion Coefficient ACC : accuracy, performance AUROC : Area Under the ROC Curve B-HCA : Adénome avec mutation du gène β-caténine B-IHCA : Adénome mixte β-caténine et inflammatoire CHC : carcinome hépatocellulaire DICOM : Digital Imaging and Communication in Medicine GLCM : Grey Level Co-occurrence Matrix GLRLM : Grey Level Run Length Matrix **GLDM** : Grey Level Dependance Matrix HBP : phase hépatobilliaire HCA : adénome hépatocellullaire H-HCA : Adénome avec mutation Hépatocyte Nuclear Factor 1  $\alpha$ HNF : Hyperplasie nodulaire focale HNF-1- $\alpha$  : Hépatocyte Nuclear Factor 1  $\alpha$ I-HCA : Adénome inflammatoire IRM : Imagerie par Resonance Magnetique K-NN : K-nearest neighbors LASSO : Least Absolute Shrinkage and Selection Operator LLCER : lesion-to-liver contrast enhancement ratio mRMR : Min-Redundancy, Max-relevance NGLDM : Neighborhood Grey-Level Different Matrix **RECIST : Response Evaluation Criteria In Solid Tumor RF** : Random Forest ROI : region d'interet Se : sensibilité Sh-HCA : adénome de type « sonic hedhehog » Sp:specificite **SVM : Support Vector Machine** TDM : tomodensitometrie 2D : deux dimensions 3D : trois dimensions

# Introduction

Les adénomes et les hyperplasies nodulaires focales (HNF) constituent deux types de tumeurs hépatocytaires bénignes. Bien que radicalement différentes elles présentent aussi des similitudes, notamment d'un point de vue iconographique.

Ce travail de thèse se propose d'en un premier temps de faire une mise au point des connaissances actuelles avant d'exposer l'intérêt diagnostique de la radiomique pour différencier ces deux lésions.

# Partie I : Etat des lieux, HNF et adénomes

## HNF

## Epidémiologie

L'HNF représente 8% des tumeurs hépatiques primitives.(1)

C'est la seconde tumeur hépatique bénigne la plus fréquente après l'hémangiome avec une prévalence de 0.4-3% (2,3).

Il existe une nette prédominance féminine avec un sexe ratio de 9 pour 1 (4)

Elle se présente à tout âge mais est nettement plus fréquente au cours des  $3^{ime}$  et  $4^{ime}$  décennies.

La découverte est généralement fortuite, rarement dans le cadre d'une symptomatologie abdominale aspécifique.

Il n'existe pas de de perturbation du bilan hépatique en lien avec la lésion.

L'HNF évolue très peu dans le temps, notamment pendant la grossesse ou à l'arrêt de la prise de contraceptifs oraux (5). On note parfois une diminution de taille au long terme notamment après la ménopause (6).

C'est une lésion souvent multiple (20-30%) et associée dans 20% des cas à des hémangiomes (7–9).

## Pathogénie et anatomopathologie :

L'HNF est une prolifération hépatocellulaire polyclonale réactionnelle à une augmentation de l'apport artériel et une diminution de l'apport portal.

Il ne s'agit pas d'un processus néoplasique et il n'y a pas de mutation génétique retrouvée.

Macroscopiquement c'est une tumeur lobulée, aux limites nettes mais non encapsulée.

On retrouve une réorganisation focale du parenchyme hépatique fait de 3 éléments :

- Une architecture anormale composée d'hépatocytes fonctionnels organisés en nodule et séparés par des septas fibreux qui présentent une irradiation centrale jusqu'à former une cicatrice fibreuse stellaire.
- 2. Des vaisseaux artériels anormalement épais au sein des septas. Il n'y a pas d'apport portal et le drainage veineux se fait par la périphérie.
- 3. Une prolifération cholangiolaire au sein des septas, sans canaux biliaire normaux.

Les hépatocytes sont généralement normaux mais peuvent être discrètement stéatosique dans 60% des cas (9).

Des atypies sont possibles notamment en cas de lésion de petite taille inférieure à 3cm (absence de cicatrice centrale).



Figure 1 : Coupes histologique d'une HNF retrouvant une cicatrice stellaire avec des artères épaissies (\*) et des travées fibreuses (flèches).(9)

## Facteurs de risque :

Il n'y a pas de prédisposition familiale.

Le risque lié à l'exposition hormonale est débattu mais la large prédisposition féminine laisse suggérer un rôle favorisant mais non démontré.

Les affections entrainant une perte de l'apport portal et une augmentation de l'apport artériel hépatique tel que le syndrome de Budd-Chiari, la maladie de Rendu Osler ou les thromboses portales, sont fréquemment pourvoyeuses d'HNF mais elles restent peu fréquentes dans la population (10–13).

## **Complications :**

Elles sont exceptionnelles et correspondent essentiellement à des torsions de lésion pédiculée.

Quelques cas d'infarctus et d'hémorragie ont été décrits (14,15).

## Adénome

## Epidémiologie :

C'est une tumeur rare et il existe peu de donnée épidémiologique. Son incidence et sa prévalence ne sont pas clairement établi.

Dans la dernière étude épidémiologique, datant de 1979, l'incidence annuelle était estimée à 0.1/100 000 dans la population (16)

Une étude plus récente de 2017, a retrouvé un taux d'incidence d'adénomes confirmés à 0.07/100 000 (0.02 pour les hommes et 0.13 pour les femmes). L'étude n'étudiant que les adénomes confirmés, l'incidence réelle doit donc être probablement plus élevée (17).

Il existe une forte prédominance de femmes jeunes avec un sexe ratio de 9 pour 1 (18), notamment chez celles utilisant des contraceptifs oraux (19).

L'âge au diagnostic se situe généralement entre 30 et 40 ans

Les circonstances de découverte sont plus variables que pour l'HNF. Des douleurs abdominales aigues en lien avec un saignement intra-tumoral ou un hématome sous capsulaire sont possible, notamment si la lésion fait plus de 5 cm.

Pour les lésions de plus petite taille le diagnostic est souvent fortuit.

La biologie est anormale dans 50% des cas associant de façon variable un syndrome inflammatoire, une cholestase anictérique, une élévation des phosphatases alcalines ou des transaminases(19).

## Pathogénie et anatomopathologie :

Les adénomes sont secondaires à une prolifération bénigne d'hépatocytes monoclonaux.

Le caractère monoclonal est constant et les travaux génétiques des 20 dernières années ont permis de mettre en évidence la présence de 6 sous-groupes distinct, chacun caractérisé par une mutations génétique aboutissant à une expression phénotypique et un aspect morphologique différent.

Macroscopiquement, la lésion présente généralement des contours ronds et rarement une capsule.

Les hépatocytes sont bien différenciés, hypertrophiés, riche en glycogène ou en lipides, mais non fonctionnels. Il n'y a pas d'espace porte complètement constitué.

Les adénomes sont uniques dans 80% des cas mais cela varie en fonction des sous-types (18).

L'adénomatose correspond historiquement à la présence de plus de dix nodules et présente les mêmes caractéristiques lésionnelles que les nodules isolés.

## Sous types d'adénomes

```
Groupe 1 : Adénomes avec mutation Hépatocyte Nuclear Factor 1 \alpha (H-HCA)
```

Ce groupe représente 30 à 40% des adénomes. La prédominance féminine est encore plus marquée, estimée à 94% (18).

Ces adénomes sont souvent appelés, comme dans le reste de ce travail, adénomes stéatosiques.

Il est caractérisé par une mutation bi-allélique inactivant le gène TCF1 qui code la protéine HNF-1  $\alpha$  impliquée dans la différenciation des hépatocytes.

L'inactivation du gène TCF1 est directement responsable d'altérations métaboliques et d'une activation de la lipogénèse (20) aboutissant à une accumulation lipidique conduisant à une stéatose lésionnelle homogène.

L'immuno-histochimie, par marquage L-FABP, permet une identification presque parfaite avec une sensibilité et une spécificité proche de 100%(21).



Figure 2 : Etude immunohistochimique d'un adénome stéatosique. NT : foie non tumoral, T : lésion tumorale. Absence d'expression de L-FABP en faveur d'une mutation HNF-1-α (B) (21)

Le risque de transformation maligne est rare, estimé à 2% dans la plus grosse série (22).

Une forme familiale est décrite, associée au diabète de type MODY 3 (23).

```
Groupe 2 : Adénomes inflammatoires, anciennement télangiectasiques (I-HCA)
```

Ce groupe est le plus fréquent et représente 40 à 50 % de l'ensemble des adénomes (18).

Il est caractérisé par une mutation activatrice d'un des facteurs de transcription de la voie de signalisation IL6/STAT3, entrainant une surexpression de plusieurs protéines inflammatoires (sérum amyloïde A, CRP).

L'étude histologique retrouve des hépatocytes entourés de tractus fibreux contenant de petites artères épaissies, des dilatations sinusoïdales et un infiltrat inflammatoire lymphocytaire. Il existe parfois quelques atypies cellulaires et une stéatose lésionnelle.

L'étude immunohistochimique retrouve une surexpression des protéines inflammatoires des hépatocytes (CRP et sérum amyloïde A).



Figure 3 : surexpression tumorale (T) de CRP comprativement au foie non tumoral (NT) (21)

La biologie peut retrouver un discret syndrome inflammatoire.

Une stéatose hépatique est fréquemment associée, en lien avec un index de masse corporelle souvent supérieure à 25 et non avec la stéatose lésionnelle.

Il est plus fréquent en cas de pathologie vasculaire hépatique et volontiers multiple dans ce cas-là (24,25).

Le risque hémorragique est accru et le taux de dégénérescence est estimé à 11% (26).

```
Groupe 3 et 4 : Adénomes avec mutation du gène \beta-caténine (b-HCA)
```

La  $\beta$ -caténine est une protéine ayant un important rôle oncogène hépatique. Elle est codée par le gène CTNNB1.

À la suite de mutations du gène CTNNB1, la phosphorylation de la  $\beta$ -caténine va être inhibée et la protéine, normalement membranaire, va migrer dans le noyau où elle agira comme facteur de transcription

L'étude immunohistochimique est caractérisée par une accumulation nucléaire de la  $\beta$ -caténine et une surexpression de la glutamine synthétase.

2 types de mutations ont été identifiées :

1. Adénomes avec mutation ou délétion de l'exon 3

Ils représentent 10-15% des adénomes (22,27) et sont caractérisés par une forte activation de la voie de signalisation de la  $\beta$ -caténine.

L'étude immunohistochimique retrouve une forte surexpression de la glutamine synthétase et une accumulation nucléaire de  $\beta$ -caténine.



Figure 4 : Adénome présentant un bande de forte surexpression de glutamine synthétase (T\*) (21)

Cette mutation est fortement associée à un risque de transformation maligne surtout chez l'homme, évalué jusqu'à 30% (22,24).

2. Adénomes avec mutation des exons 7 ou 8

Ils représentent 7-10 % des adénomes (22,27). L'activation de la voie de signalisation de la  $\beta$ -caténine est nettement moins marquée.

L'étude immunohistochimique retrouve une faible expression de la glutamine synthétase et une absence d'accumulation nucléaire de  $\beta$ -caténine.



Figure 5 : Adénome présentant une surexpression peu marquée et hétérogène de glutamine synthétase(21)

Le risque de transformation maligne est nettement moins décrit (28).

Les adénomes β-caténine mutés sont plus souvent uniques.

Le diagnostic différentiel avec un carcinome hépatocellulaire bien différencié est difficile compte tenu de la fréquence d'anomalies cytologiques et architecturales proches et du fait que les mutations β-caténines sont également une particularité des CHC.

On note enfin une proportion d'homme bien plus importante, estimée à 40% (22).

```
Groupe 5 : Adénomes hépato-cellulaire "sonic hedgehog" sh-HCA
```

Ils représentent environ 5 % des adénomes (18) et sont secondaire à une surexpression de GLI1, facteur de transcription de la voie de signalisation sonic hedgehog.

L'étude immunohistochimique retrouve une surexpression de prostaglandine D2 synthetase.

Ce sous-type est plus fréquent en cas de surpoids et présente un risque accru de remaniement hémorragiques.

Groupe 6 : Adénomes inclassés

Ce sont des adénomes inclassables, sans caractéristique propre, moléculaire ou immunohistochimique.

Ils représentent moins de 7 % des adénomes(18)

```
Adénomes mixtes \beta-caténine et inflammatoire b-IHCA
```

Des adénomes mixtes ont également été décrit, ils présentent les caractéristiques des deux catégories.



Tableau i : Résumé des différents sous-types d'adénome (18)

## Facteurs de risque :

L'exposition hormonale est le principal facteur de risque : activité génitale, prise de contraceptifs oraux (29,30).

Il existe également d'autre facteurs favorisant mais moins fréquent dans la population :

- L'obésité et le syndrome métabolique(31),
- La prise de stéroïdes androgéniques,
- Les glycogénoses type I ou III, le diabète de type Mody 3, la tyrosinémie, la galactosémie (32,33)

## **Complications :**

Les deux principales complications sont le saignement et la transformation maligne.

Le risque dépend essentiellement de la taille mais également du sous-type d'adénome.

Il est quasi nul si la lésion est inférieure à 2cm et exceptionnel si inférieure à 5cm (18).

Le risque de transformation varie de 2 à 30 % selon sous types.

## Imagerie

## IRM

L' IRM est la modalité d'imagerie recommandée pour faire le diagnostic (4).

## HNF:

C'est une lésion homogène, en dehors de l'élément central, bien limitée, non encapsulée, souvent lobulée.

On peut parfois voire une pseudo-capsule en lien avec l'effet de masse sur le parenchyme sain adjacent.

Avant injection l'HNF est peu différente du parenchyme sain en pondération T1 et T2. Elle est en iso-hyposignal T1 et isosignal ou discret hypersignal T2 (34,35).

Dans 80% des cas un élément central est individualisable, en hyposignal T1 et hypersignal T2, en lien avec la zone central fibreuse et la prolifération cholangiolaire (36,37).

La cinétique de rehaussement est typique lorsqu'il existe une intense prise de contraste artérielle suivi d'une homogénéisation au reste du parenchyme hépatique aux temps portal et tardif. L'élément central présente un rehaussement progressif au cours du temps en raison de la composante fibrotique (36,37).

Les séquences de diffusion retrouve un hypersignal à b élevé mais sans restriction de l'ADC (38).

Des atypies peuvent exister, les plus fréquentes étant la stéatose lésionnelle, un hypersignal T2 intense secondaire à des distensions sinusoïdales, une pseudo-capsule, l'absence de cicatrice voir un washout.



Figure 6: Aspect typique en IRM d'une HNF. Pondération T2 FS (A), T1 sans IV (B) à la phase artérielle (C) et à la phase portale (D) (36)

## Adénomes :

L'imagerie va varier en fonction des caractéristiques phénotypiques.

C'est une tumeur le plus souvent hypervascularisée, homogène ou non selon la taille

Adénomes avec mutation HNF-1- $\alpha$ 

C'est une lésion très homogène même lorsqu'elle est volumineuse.

Les séquences clefs sont celles en pondération T1 en phase et en opposition de phase. Elles permettent de mettre en évidence le contingent stéatosique de la lésion sous forme d'une chute du signal marquée et homogène en opposition de phase avec une sensibilité à 87% et une spécificité à 100% (39).

En pondération T2 avec saturation de la graisse la lésion peut présenter un discret hypersignal.

En général le rehaussement est modéré voir absent et il peut exister un lavage au temps portal.



Figure 7 : Aspect typique en IRM d'un adénome stéatosique. Pondération T1 en phase et en opposition de phase (A et B) retrouvant une chute homogène du signal. Faible rehaussement artériel (C) et washout portal (D) (18)

## Adénomes inflammatoires

Ils sont bien limités, non encapsulés et plus souvent volumineux.

Ils présentent un franc hypersignal T2, parfois périphérique (« atoll sign ») et un isosignal ou hyposignal T1.

Il n'y a pas de chute du signal en opposition de phase.

La cinétique de rehaussement est caractéristique avec une franche prise de contraste artérielle persistant aux temps portal et tardif, en lien avec la dilatation sinusoïdale.

L'association d'un franc hypersignal T2 et d'une cinétique de rehaussement typique permet d'obtenir une VPP de 90% (39).



Figure 8 : Aspect typique en IRM d'un adénome inflammatoire. Pondération T2 (A), T1 sans IV (B) et aux phases artérielle (C), portale (D) et hépatobiliaire. (18)



Figure 9 : exemple de "l'atoll sign" en pondération T2(18)

## Adénomes avec mutation $\beta\text{-caténine}$

L'imagerie est moins caractéristique et peu spécifique. Un des éléments rapportés est la présence de stéatose hétérogène(40).

Les lésions sont souvent hétérogènes, rehaussées au temps artériel. Un washout est possible aux temps portal ou tardif.

## Les autres adénomes

Pas d'imagerie spécifique. Ils présentent les caractéristiques générales des adénomes.

Le but de l'IRM pour le sous typage des adénomes est donc celui d'identifier les adénomes avec mutation HNF-1- $\alpha$ , les adénomes inflammatoires, et de savoir évoquer une mutation  $\beta$ -caténine devant une stéatose hétérogène ; la distinction des autres sous-types n'est pas envisageable en IRM.

## Phase hépatobiliaire et analyse quantitative

Les agents de contraste dit hépatospécifiques sont capables de fournir un rehaussement vasculaire et interstitiel mais ils présentent également la propriété d'être captés par les hépatocytes via les récepteurs OATP, avant d'être en partie excrétés dans la bile au travers des canaux canaliculaires.

Les produits actuellement disponibles incluent le Gadolinium EOB-DTPA (Primovist<sup>®</sup>) et le Gadolinium BOPTA (Multihance<sup>®</sup>), les deux ayant obtenu l'AMM en France (décembre 2020 pour le Primovist<sup>®</sup>).

Cette phase est obtenue 20 min après l'injection pour le Gadolinium EOB-DTPA et une heure après l'injection de Gadolinium BOPTA.

La phase hépatobiliaire présente un intérêt particulier dans la caractérisation des lésions hépatiques. Elle permet notamment de distinguer les lésions surexprimant les récepteurs OATP comme les HNF des lésions dépourvues de surexpression de l'OATP comme les adénomes.

Classiquement les HNF (hépatocytes fonctionnels et canalicules borgnes) présenteront un isosignal ou hypersignal, notamment périphérique, alors que les adénomes (hépatocytes non fonctionnels) seront en hyposignal (41,42).

La phase hépatobilliaire avec du gadolinium BOPTA permet de différencier HNF et adénome en se basant sur l'intensité en phase hépatobiliaire avec une exactitude de 92-96 % (41,43,44).

L'étude quantitative de cette prise de contraste avec le rapport LLCER, évaluée par la formule 100x[(SITpost / SILVpost) - (SITpre / SILVpre)] / (SITpre / SILVpre) (où SITpost et SILVpost sont respectivement l'intensité moyenne du signal (SI) de la tumeur et du foie sur les séquences HBP, et SITpre et SILVpre sont les SI respectifs de la tumeur et du foie avant injection sur la même séquence T1 avant et après contraste), permet d'augmenter encore la puissance diagnostique avec une sensibilité de 100% et une spécificité de 96.2%(45). Cette quantification est notamment utile lorsque la lésion est en hypersignal T1 spontané, ce qui rend difficile l'interprétation de la phase hépatobiliaire.



Figure 10 : IRM à la phase hépatobiliaire. Hypersignal d'une HNF (A). Hyposignal d'un adénome (B)(41)

## Autres types d'imagerie

## HNF:

## Echographie de contraste :

La lésion est hypo- ou isoéchogéne. La détection se fait parfois seulement grâce à l'effet de masse sur les structures environnantes.

La cicatrice, quand elle est visible, est discrètement hyperchogène.

L'étude en Doppler couleur peut mettre en évidence une artériole centrale.

La prise de contraste est typique avec une artère centrale se distribuant en rayon de roue suivi d'un rehaussement intense, homogène et centrifuge sans lavage.

L'échographique de contraste est plus performante que l'IRM pour les petites lésions et inversement, avec notamment des performances de l'échographie de contraste chutant drastiquement pour des tailles supérieures à 3 cm (46).



Figure 11 : Aspect typique de la cinétique de rehaussement d'une HNF en échographie de contraste (47)

## Tomodensitométrie :

Lésion isodense ou discrètement hypodense, lobulée, non encapsulée, très rarement siège de calcification centrale.

La cinétique de rehaussement est identique à celle décrite en IRM.

## Adénome avec mutation HNF-1alpha

## Echographie de contraste :

Lésion hyperéchogène, bien limitée, peu vascularisée présentant parfois un lavage.

Tomodensitométrie :

Lésion hypodense en contraste spontané.

La cinétique de rehaussement est similaire à celle décrite en IRM.

## Adénome inflammatoire

### Echographie de contraste :

Sa présentation est variée, on note une vascularisation plus importante en Doppler. La cinétique de rehaussement reste néanmoins aspécifique.

### Tomodensitométrie :

Souvent hétérogène avec de potentiels remaniements hémorragiques.

La cinétique de rehaussement est identique à celle décrite en IRM.

## Stratégie diagnostique

## HNF

Toutes les modalités d'examen peuvent poser le diagnostic mais l'IRM a la meilleure sensibilité.

L'association des différents critères décrit ci-dessus aboutit à une très bonne spécificité.

Le problème se pose quand il manque un ou plusieurs critères, notamment pour les petites lésions.

Dans ces cas-là il y a un réel intérêt à la réalisation d'un second examen, notamment une échographie de contraste.

La biopsie est indiquée seulement en cas d'imagerie atypique après la réalisation d'au moins deux examens non invasifs différents. Elle se réalise en ciblant le centre la lésion afin d'avoir un maximum d'argument histologique.

Elle permettra de faire le diagnostic différentiel avec les autres tumeurs hépatiques artérialisées comme les adénomes, les CHC, les tumeurs neuroendocrines, les hémangioendothéliomes ....



*Figure 12 : Stratégie diagnostique pour une HNF selon l'EASL(4)* 

## Adénome

L'IRM présente un rôle fondamental dans la prise en charge des adénomes. Il permet habituellement de poser le diagnostic et de suggérer un sous-typage. Dans la majorité des cas, une confirmation histologique reste nécessaire.
En cas de diagnostic iconographique typique d'adénome stéatosique ou inflammatoire, ou s'il existe une indication chirurgicale de première intention, la biopsie n'est pas forcément réalisée.



Figure 13 : Stratégie diagnostique pour les adénomes selon l'EASL(4)

## Stratégie de prise en charge

#### HNF:

Devant le très faible taux de complication le traitement reste conservateur. Il n'y a pas lieu de réaliser de résection prophylactique ni de surveillance, y compris pendant la grossesse.

Exceptionnellement une exérèse chirurgicale peut être proposé dans le cadre de douleurs sur une tumeur pédiculée.

Il n'y a pas de contre-indication à l'utilisation de contraceptifs oraux ni à la réalisation d'une grossesse (4).

#### Adénome :

Historiquement la contraception orale est contre indiquée. Cette recommandation est actuellement à nuancer compte tenu des très faibles doses en œstrogènes des pilules microdosées ou des pilules purement progestatives.

Il existe plusieurs indications à un traitement curatif (4) :

- Un adénome chez un homme devant le risque élevé de transformation,
- Un adénome symptomatique,
- Un adénome de plus de 5cm (à nuancer en cas d'adénome stéatosique) ou ayant augmenté en taille (>20% selon les critères Recist 1.1) (48),
- Un adénome β-caténine muté devant le risque élevé de transformation.

Un adénome ne remplissant pas ces critères peut être surveillé.

De façon moins consensuelle, on peut également proposer une surveillance pour les adénomes de sous-types HNF-1- $\alpha$ , inflammatoire et  $\beta$ -caténine négatif chez la femme. Le risque de cette surveillance est fonction du sous-type. Il y a par exemple un fort degré d'assurance en cas de suivi d'un adénome HNF-1- $\alpha$  muté, alors qu'un adénome non classé fera craindre une mutation méconnue.

En cas de surveillance une imagerie de contrôle, par échographie ou IRM, sera réalisée à 6 puis 12 mois pour établir le profil évolutif, puis de façon annuelle(4).

A noter que chez la femme enceinte la surveillance se fera de manière rapprochée par échographie toutes les 6-12 semaines compte tenu du risque accru d'augmentation de taille et de rupture (4,49).

En cas de résection, le gold standard est la résection chirurgicale.

Une embolisation artérielle sera proposée en cas de saignement aigue nécessitant une prise en charge urgente (50).

Les traitements ablatifs percutanés sont aussi possible mais exposent à un risque de récidive et ne sont donc proposés que chez les patients non éligible à la chirurgie (51).

# Partie II : La radiomique

# Définition

La radiomique occupe une place importante dans la littérature depuis une dizaine d'années avec un nombre d'articles croissant. (52)

Calquée sur la génomique, elle consiste en une méthode d'étude scientifique basée sur les données quantitatives de l'image ayant pour but final de générer des marqueurs iconographiques comme outil d'aide diagnostic ou décisionnel (53,54).

Elle étudie d'avantage d'informations détenues dans l'image que l'œil humain, et permet par une approche non invasive, d'analyser la structure tumorale et son environnement.

La mesure quantitative des paramètres de texture permet d'étudier l'hétérogénéité tumorale et donc semble émerger comme un véritable biomarqueur tumoral, au même titre que l'étude histologique, immunohistochimique ou même génétique (55,56).

De plus cette étude peut être répétée dans le temps afin d'appréhender les modifications temporelles de la texture de l'image.

Son utilisation pourrait donc permettre de développer des biomarqueurs d'imageries afin d'évaluer la nature biologique d'un tissu, la réponse thérapeutique ou encore le pronostic d'une lésion tumorale.

Cette technique relativement nouvelle doit cependant être standardisée afin d'assurer une certaine reproductibilité.

## Méthodologie

En pratique la radiomique comporte plusieurs étapes distinctes que nous allons détailler par la suite.



Figure 14: Résumé des étapes méthodologiques de radiomique

## Etape 1 : l'acquisition des images

La radiomique s'applique à toutes les modalités d'examens (IRM, TDM, échographie, TEP...).

Il est important de faire attention au post-traitement immédiat des images, potentiellement pourvoyeur d'une modification des paramètres de textures (protocole de réduction du bruit par exemple).

En IRM, les études multi-machines exposent à un risque accru d'erreur compte tenu de la reproductibilité hétérogène des paramètres de texture (57–59).

#### **Etape 2 : Segmentation**

La segmentation permet de définir la région d'intérêt, classiquement il s'agit de la lésion tumorale étudiée.

Elle peut se réaliser manuellement ou automatiquement. La méthode la plus reproductible étant celle semi-automatisée (60).

La segmentation peut également se faire sur un volume entier ou sur une seule coupe en 2D (61–63).



Figure 15 : Exemple de segmentation 2D avec le logiciel 3D-Slicer

#### **Etape 3 : Pré-traitement**

C'est une étape nécessaire afin de permettre d'avoir des paramètres comparables entre eux.

En effet les images, par exemple en cas d'acquisition sur plusieurs machines, peuvent avoir des paramètres d'acquisitions différents. On peut notamment rendre des voxels de même taille par interpolation en cas de taille initialement différentes.

On peut également alléger les images afin de faciliter des calculs plus complexes, comme par la discrétisation de niveau de gris qui va permettre de diminuer le nombre de niveau de gris.

#### Etape 4 : Extraction des données

De nombreux logiciels existants permettent l'extraction des différentes données. Certains sont en accès libre et validés par la communauté scientifique comme LifeX ou 3D Slicer(64).



Figure 16 : Exemple d'extraction des paramètres de texture à partir d'une segmentation 2D sur le logiciel 3D Slicer

#### Les paramètres de forme :

Ils sont très dépendants de la segmentation et vont décrire les caractéristiques morphologiques de la lésion comme ses contours, sa forme, ses dimensions (ex : surface, plus grand axe, sphéricité, allongement ...).

Il n'étudie pas la distribution des pixels dans l'image.

#### Les paramètre de texture de premier ordre :

Les paramètres de texture de premier ordre permettent d'étudier la distribution des niveaux de gris à partir de l'histogramme d'intensité de pixel dans la région d'intérêt.

Ils correspondent, par exemple, à la densité moyenne ou maximale, à la déviation standard (variance autour de la valeur moyenne), à l'entropie (irrégularité de l'histogramme), à l'asymétrie de l'histogramme ou encore au kurtosis (pic/planéité de l'histogramme).



Ils ne prennent pas en compte la localisation des pixels ni l'inter-relation spatiale.

Figure 17 : illustration des paramètres de texture de premier ordre(53)

#### Les paramètres de second ordre et d'ordre supérieur :

Ils permettent de décrire l'organisation spatiales des pixels en analysant leur situation les uns par rapports aux autres.

Plusieurs méthodes de descriptions existent.

#### Matrice de co-occurrence des niveaux de gris (GLCM)

Elle caractérise les relations d'intensités entre les couples de voxels voisins en mesurant la probabilité pour qu'un couple de niveaux de gris vérifiant une loi spatiale donnée apparaisse dans l'image.

Elle est construite en comptant le nombre de fois que 2 pixels apparaissent à une distance donnée dans une direction donnée.

1	1 -	<b>→</b> 3	4		1	2	3	4		1	2	3	4
2	1 –	→ 2	1	1	1	2	2		1	1	0	2	0
2	-		±	2					2	2	0	1	0
3	2	3	4	3					3	1	1	0	2
4	4	2	1	4					4	0	1	0	1

Figure 18 : Illustration de la matrice GLCM

La matrice de longueur des zones homogènes de niveaux de gris (GLSZM)

Elle donne la longueur des zones ayant la même intensité dans une direction donnée.

L=2	L=2	 1	2	3
L=1 L=	1 L=1 L=1	0	1	0
		3	1	0
		2	1	0
<u>L=1</u>	L=3	0	1	1

Figure 19 : Illustration de la matrice GLSZM

La matrice de différence des niveaux de gris de voisinage (NGTDM)

Elle décrit les différences d'intensités entre voisins dans n'importe quelle direction.

La matrice de longueurs de plages homogènes (GLRLM)

Elle décrit la longueur des plages de même intensité.



Figure 20: Illustration de la matrice GLRLM

#### La matrice de dépendance de niveaux de gris (GLDM)

Elle quantifie les dépendances de niveau de gris dans une image. Une dépendance de niveau de gris est définie comme le nombre de voxels connectés pour une distance et une différence de niveau de gris donnée.

#### Etape 5 : Sélection des paramètres

L'analyse de texture génère l'acquisition de plusieurs centaines de paramètres par image. Cette situation conduit à une forte probabilité d'obtenir des résultats faussement positifs ou à l'impossibilité de convergence des méthodes de classification.

La réduction de donnée par sélection de paramètre, les ajustements pour comparaison multiples et le contrôle de fausse découverte sont des méthodes permettant de s'affranchir de ce risque.

Le nombre important de variable entraine également un risque de surapprentissage, rendant le modèle parfait sur l'échantillon de population exploré mais non exploitable sur un autre jeu de données.

Il est donc indispensable de sélectionner les données pertinentes.

La sélection de paramètre peut se faire par filtrage en fonction de leurs caractéristiques (reproductibilité, redondance...), par transformation des paramètres (création d'une nouvelle variable par combinaison de plusieurs variables) ou par une méthode directement incluse dans la phase de classification comme dans le cadre des réseaux neuronaux profond.

A titre d'exemple, voici quelques algorithmes utilisables pour la sélection de paramètres :

- La méthode LASSO (Least Absolute Shrinkage and Selection Operator), inventée par Tibshirani en 1996 (65) correspond à une contraction des coefficients de la régression.
- L'algorithme Boruta est une méthode de sélection de variables de type enveloppe basée sur un algorithme de classification de forêt d'arbres, développé en 2010 (66).
- " Min-Redundancy, Max-relevance" (mRMR) est une méthode de filtrage pour la sélection de caractéristiques basée sur des mesures statistiques classiques dont le but est de minimiser la redondance entre les variables et de maximiser la pertinence (67).

#### **Etape 6 : La classification**

Cette étape permet d'obtenir un algorithme permettant d'identifier l'appartenance à un groupe.

Les paramètres du groupe d'entrainement sont utilisés pour développer un algorithme de classification, qui sera ensuite appliqué au groupe d'essai pour évaluer sa performance.

L'apprentissage peut être supervisé ou non.

S'il est supervisé, l'entrainement se fait à partir d'un groupe connu et étiquetés caractérisés par une base de données contenant les paramètres descriptifs. Une fois entrainé, l'algorithme sera capable de déterminer la catégorie d'un nouvel individu.

S'il est non supervisé, l'algorithme n'a pas de cible pour corréler les données et doit trouver un modèle mathématique permettant de regrouper les données semblables et séparer les données différentes (clustering).

Les méthodes de classifications classiquement utilisées sont :

 L'algorithme K-NN (K-nearest neighbors), c'est une méthode d'apprentissage supervisé. Son fonctionnement peut être assimilé à l'analogie suivante "dis-moi qui sont tes voisins, je te dirais qui tu es…". Dans ce cadre, on dispose d'une base de données d'apprentissage constituée de N couples « entrée-sortie ». Pour estimer la sortie associée à une nouvelle entrée x, la méthode des k plus proches voisins consiste à prendre en compte (de façon identique) les k échantillons d'apprentissage dont l'entrée est la plus proche de la nouvelle entrée x, selon une distance à définir. (68)
 Puisque cet algorithme est basé sur la distance entre les données, la normalisation peut

Puisque cet algorithme est basé sur la distance entre les données, la normalisation peut améliorer sa précision.

- L'algorithme Random Forest (RF), proposé par Leo Breiman en 2001(69), c'est un algorithme qui se base sur l'assemblage d'arbres de décision
- Les machines à vecteurs de support ou séparateurs à vaste marge (Support Vector Machine) (70), ce sont des classificateurs qui reposent sur deux idées clés.
  La première idée clé est la notion de marge maximale. La marge est la distance entre la frontière de séparation et les échantillons les plus proches.
  La deuxième idée clé est de transformer l'espace de représentation des données d'entrées en un espace de plus grande dimension (possiblement de dimension infinie), dans lequel il est probable qu'il existe une séparation linéaire.
- LASSO (uniquement dans le cas d'une sélection préalable de paramètres par LASSO)
- Naive Bayes, c'est une collection d'algorithmes de classification basés sur le théorème de Bayes. Ce n'est pas un algorithme unique, mais une famille d'algorithmes qui partagent tous un principe commun, à savoir que chaque caractéristique classée est indépendante de la valeur de toute autre caractéristique.

Cependant, les caractéristiques ne sont pas toujours indépendantes, ce qui est souvent perçu comme un inconvénient de l'algorithme Naive Bayes et c'est pourquoi il est appelé « naïf ».



Figure 21: Illustration de l'algorithme KNN(71)

## Etape 7 : La validation

Plus il y a de données dans un modèle plus celui-ci est précis sur la population étudiée mais moins le modèle est généralisable sur une autre population, ceci est appelé surapprentissage.

Pour valider le modèle générer la méthode la plus simple est celle de réaliser un groupe test qui n'a pas servi à l'apprentissage du modèle. La population initiale est séparée en deux groupes (entrainement et test), généralement aux proportions de 70/30 %.

Le groupe d'entrainement sert à la création du modèle et le groupe test à la validation de ses performances.

Si la population n'est pas suffisamment grande une méthode de validation croisée est possible. La population est séparée en plusieurs groupes qui vont chacun leur tour servir d'entrainement puis de test. La performance globale est obtenue en moyennant les résultats de chaque partie. On peut aussi être plus exigeant en s'intéressant aux valeurs minimales sur tous les tests.

Une validation externe est également nécessaire afin qu'un modèle de classification puisse prétendre à une application clinique.

# Limites :

La principale limite de la radiomique est sa reproductibilité, notamment en lien avec les paramètres d'acquisitions des images et les différences méthodologiques.

En effet des changements de paramètres lors de l'acquisition des images, l'utilisation de machine différentes (notamment en IRM) ou bien la présence d'artéfact sur les images peuvent rendre discutable la comparaison des textures lésionnelles.

De plus la méthodologie complexe et non uniformisée génère une importante limitation à l'application courante des algorithmes développés.

Cependant, les contraintes de publications actuelles font tendre vers une méthodologie plus stricte et consensuelle permettant d'espérer une simplification de l'application des résultats obtenus dans le futurs.

# **Partie III : Article**

Nicolas De Abreu<sup>1</sup>, Constance Hordonneau<sup>1</sup>, Fanny Beltzung<sup>2</sup>, Louis Boyer<sup>1,3</sup>, Armand Abergel<sup>3,4</sup>, Jean-Marc Garcier<sup>1,3,5</sup>, Benjamin Buchard<sup>3,4</sup>, Benoît Magnin<sup>1,3,5</sup>

1 : Service de Radiologie, CHU Clermont-Ferrand

- 2 : Service d'Anatomopathologie, CHU-Clermont-Ferrand
- 3 : Institut Pascal, UMR 6602 CNRS, Université Clermont Auvergne, Clermont-Ferrand, France.
- 4 : Service de Médicine Digestive, CHU Clermont- Ferrand
- 5 : Département d'Anatomie, UFR Médecine, Université Clermont Auvergne

## Introduction

Les adénomes et les hyperplasies nodulaires focales constituent deux types de tumeurs hépatocytaires bénignes essentiellement rencontrées chez la femme jeune. Les HNF sont beaucoup plus fréquentes que les adénomes, avec une prévalence estimée à 0.4-3% (2,3) contre 0.001- 0.004% (72,73).

Bien qu'ayant une pathogénie radicalement différentes ces lésions présentent des similitudes notamment d'un point de vue iconographique. Leur différenciation reste néanmoins primordiale compte tenu des implications cliniques.

L'HNF est une tumeur généralement asymptomatique, à risque exceptionnel de complication et sans risque de transformation maligne. C'est une tumeur qui évolue peu dans le temps et qui ne nécessite ni suivi ni adaptation de traitement (5,6,14,15).

A l'inverse les adénomes peuvent être symptomatiques et présentent un risque de complications hémorragiques et de transformation maligne (18). Ce risque est directement lié au sous-type d'adénome et à leur taille, il est le plus élevé chez les adénomes  $\beta$ -caténine mutés (21,22,24).

L'IRM avec injection de produit de contraste hépatospécifique est l'examen non invasif de référence pour le diagnostic différentiel entre ces lésions.

Au-delà des caractéristiques morphologiques sur les pondérations classiques, c'est la phase hépatobiliaire qui présente un intérêt particulier. Classiquement les HNF présenteront un isosignal ou hypersignal, notamment périphérique, alors que les adénomes seront en hyposignal (41,42).

La différenciation entre HNF et adénome après injection de de Gadobenate de dimeglumine (Gd-BOPTA) a montré de très bonne performances dans plusieurs études (41,74,75), mais néanmoins imparfaites car d'autres publications ont montré que 3 à 10% des HNF étaient hypointenses (41,75,76) et 7 à 26% des adénomes étaient iso- ou hyperintenses (43,77,78).

Cette prise de contraste hépatobiliaire peut être quantifiée afin d'augmenter les performances diagnostiques avec le rapport LLCER (lesion-to-liver contrast enhancement ratio).

La radiomique est une méthode d'analyse mathématique de l'image. Elle étudie d'avantage d'informations détenue dans l'image que l'œil humain. Elle permet, par une approche non invasive, d'analyser la structure tumorale et son environnement.

La mesure quantitative des paramètres de texture permet d'étudier l'hétérogénéité tumorale et semble émerger comme un véritable biomarqueur, au même titre que l'étude histologique, immunohistochimique ou même génétique (55,56).

Nous sommes donc partis du principe que ces deux tumeurs, histologiquement bien différentes, devraient présenter des paramètres de textures significativement différents.

Le but de notre étude était de proposer un algorithme de classification par analyse de texture pour différencier adénome et HNF en se basant sur les images IRM après injection de Gadobenate de dimeglumine.

Dans un second temps nous avons également étudier les capacités de ces algorithmes pour sous-typer les adénomes et les performances du rapport LLCER.

# Matériel et méthodes

Cette étude rétrospective monocentrique a été approuvée par notre comité d'examen institutionnel et ne nécessitait pas de consentement éclairé.

## Population

L'inclusion a été réalisé en 3 phases de manière rétrospective entre janvier 2010 et décembre 2020 chez des patients porteurs d'HNF ou d'adénome ayant réalisé une IRM hépatique avec phase hépatobiliaire.

La première phase d'inclusion de patients a été faite sur preuve histologique : en partant de la base de données du département d'anatomopathologie du CHU de Clermont-Ferrand montrant une anatomopathologie d'adénome hépatique ou d'HNF sur la période, nous avons inclus toutes les lésions pour lesquelles nous disposions d'une IRM à la phase hépatobiliaire.

La deuxième phase de sélection a été faite par similarité : s'il existait chez un même patient des lésions similaires à une lésion incluse dans la première phase (preuve histologique), nous les avons incluses.

La troisième phase d'inclusion a été faite par un aspect typique en IRM. Nous avons listé toutes les IRM réalisées au CHU de Clermont Ferrand sur la période avec phase hépatobiliaire évoquant un adénome hépatique ou une HNF (recherche par mots clés sur les compte rendus). Ces IRM ont ensuite été relues en aveugle du compte rendu et du dossier clinique, indépendamment, par deux radiologues expérimentés en imagerie hépatique (CH, 7 ans de post internat spécialisé ; BM 6 ans de post internat spécialisé). Les lésions n'étaient inclues qu'en cas d'aspect typique selon les 2 radiologues (pas d'inclusion en cas de discordance).

Les critères d'exclusion étaient la présence d'une hépatopathie sous-jacente, un âge inférieur à 18 ans, la présence de remaniements hémorragiques récents intra lésionnels et une taille inférieure à 10 mm

128 lésions (95 HNF et 33 adénomes) ont été ainsi incluses chez 91 patients dont 34 avec une preuve histologique (11 adénomes et 23 HNF).





Figure 22: Organigramme de sélection de la population finale (FNH : hyperplasie nodulaire focale ; HCA : adénome hépatocellulaire)

#### **Acquisition IRM**

Les acquisitions ont été réalisées sur 7 machines d'IRM différentes (General Electric Optima 1,5 T (nombre de lésions n=90), General Electric Signa Artist 1,5T (n=21), Siemens Magnetom Aera 1,5 T 1 (n=10), Siemens Magnetom Vida 3T (n=2), Siemens Avanto (n=2), Phillips Ingenia Elition X 3T (n=2), Siemens Magnetom Aera 1,5 T 2 (n=1)).

Les protocoles étaient similaires et associaient des séquences en écho de spin pondérées en T2 et saturées en graisse, des séquences de diffusion avec cartographie d'ADC et des séquences 3D en écho de gradient pondérées en T1 (LAVA GE Healthcare, VIBE Siemens, 3D Thrive Philips) sans puis après injection de Gadobénate de diméglubine (Multihance®) avec notamment des phases artérielle, portale et hépatobiliaire (à 1h30 après l'injection de produit de contraste).

#### Etude qualitative des images

Une analyse qualitative des images a été réalisé en aveugle en parallèle de l'analyse de texture par 2 radiologues spécialisés en imagerie digestive, sans connaissance des résultats histologiques.

Pour chaque lésion plusieurs paramètres ont été dénombrées tel que la taille, l'intensité de la prise de contraste artérielle, l'intensité du signal à la phase portale, l'intensité du signal à la phase hépatobiliaire, la présence d'un hypersignal T1, l'intensité du signal T2 spontané, la présence d'un « Atoll sign » (hypersignal T2 périphérique), la présence d'une cicatrice centrale

en hypersignal T2, la présence d'une prise de contraste de la cicatrice centrale, la présence de graisse intra-lésionnelle et l'hétérogénéité de la lésion.

La présence de stéatose hépatique en dehors de la lésion a également été notifiée.

### Segmentation

La segmentation et l'extraction des paramètres de texture a été réalisé à l'aide du logiciel en open source 3D SLICER, version4.11.20210226 (64).

La segmentation de la lésion a été réalisée en 2D sur les séquences T2 FAT SAT, 3D T1 LAVA aux phases artérielles et hépatobiliaires et sur la cartographie ADC. Elle a été réalisée manuellement, par une forme libre, en marge interne, au niveau du plus grand diamètre lésionnel par un interne en radiologie (8 semestres).

Une ROI a également été segmentée sur le foie non lésionnel en pondération T1 sans injection puis à la phase hépatobiliaire.



Figure 23 : Exemple de segmentation d'un adénome inflammatoire à l'aide du logiciel 3D Slicer

#### Extraction de paramètres de texture

Le module SlicerRadiomic de 3D Slicer a été utilisé pour l'extraction des paramètres de texture, utilisant la librairie pyradiomics (79).

Les paramètres de textures de premier (Shape, Entropy, Energy,Kurtosis, Skewness,Uniformity....) et de second ordre (matrices GLDM, GLRLM, GLSZM et NGTDM) ont

été extraits, avec les paramètres par défaut. Environ 740 paramètres par lésions ont été ainsi extraits.

## Reproductibilité et sélection de paramètres

Un total de 10% de toutes les lésions a été segmenté une deuxième fois sur les 6 séquences, 2 mois plus tard, en aveugle de la première segmentation. Des paramètres de texture ont été extraits une seconde fois, et la reproductibilité a été évaluée pour chaque paramètre sur chaque séquence en utilisant la corrélation de concordance de Lin. Pour chaque séquence, seuls ont été sélectionnés les paramètres ayant une corrélation de concordance de Lin supérieure ou égale à 0,95.

## Validation croisée – séparation des données

Les données ont été aléatoirement séparés en trois groupes de même taille afin de réaliser une validation croisée en 3 plis (3-fold cross validation). A chaque itération de cette validation croisée, un groupe (un tiers des données) était pris comme groupe de test sur lequel était évalué la méthode développée sur les deux autres groupes (deux tiers des données) en tant que groupe d'entrainement

#### Correction de l'effet multi IRM

Afin de corriger la variabilité des paramètres du fait d'acquisitions sur des machines d'IRM différentes, nous avons utilisé la procédure de correction ComBat (80,81). Cette procédure ComBat a été appliquée séparément aux groupes d'entrainement et de test.

#### Equilibration des classes

Comme le nombre d'HNF et d'adénomes n'est pas équilibré dans notre population (comme dans la population générale), nous avons utilisé la technique synthétique de suréchantillonnement des minorités (SMOTE) (82) pour équilibrer nos données. Nous l'avons utilisé pour sous-échantillonner notre classe minoritaire HNF (notée SMOTE1) ou pour sur-échantillonner notre classe majoritaire adénome (notée SMOTE2). Nous avons aussi gardé les classes telles quelles (pas de SMOTE)

#### Normalisation des paramètres

Certains paramètres peuvent avoir des valeurs absolues très différentes des autres, ce qui peut avoir une influence sur certaines méthodes de sélection des données ou de classification. Nous avons utilisé les paramètres soit inchangés, soit normalisés par la formule  $x_{Norm}$ = (x-

min(x))/(max(x)-min(x)) (où x est le paramètre, min(x) et max(x) sont les valeurs minimales et maximales de x dans le groupe étudié (entrainement ou test))

#### Sélection de paramètres

Du fait du nombre de séquences et du nombre de paramètres de texture par séquence, chaque lésion peut être représentée par plus de 700 paramètres.

Nous avons utilisé les données sans réduction du nombre de paramètres, soit en utilisant une des méthodes de sélection de paramètres

- LASSO (Least Absolute Shrinkage and Selection Operator) (65)
- Boruta (66)
- mRMRe (Minimum Redundancy, Maximum Relevance Ensemble Feature Selection)(67)

## Classification

Les paramètres du groupe d'entrainement ont été ensuite utilisés pour développer une méthode de classification, qui a été ensuite appliquée au groupe d'essai pour évaluer sa performance (Perf, Sen, Spe)

Les méthodes de classifications utilisées ont été :

- KNN (K Nearest Neighbors) avec comme nombre k de plus proches voisins à prendre en compte k=(nombre de paramètres)<sup>-1/2</sup> (68)
- Random Forest (RF) (69)
- SVM (Support Vector Machine) avec un noyau Radial Basis Function et une optimisation des paramètres Gamma et C par recherche sur une grille entre 2-<sup>25</sup> et 2<sup>25</sup> (70)
- LASSO (uniquement dans le cas d'une sélection préalable de paramètres par LASSO)
- Naive Bayes

En combinant la normalisation des données (oui ou non), l'équilibrage des classes (pas de SMOTE, SMOTE1, SMOTE2), la sélection de paramètres (pas de sélection, LASSO, BORUTA, mRMR), les méthodes de classification (KNN, RF, SVM, Naive Bayes et LASSO en cas de sélection des paramètres par LASSO), nous avons obtenu 102 résultats de classification.



Figure 24 : Schéma du modèle méthodologique. Lasso (Least Absolute Shrinkage and Selection Operator), mRMRe (Minimum Redundancy, Maximum Relevance Ensemble Feature Selection), KNN (K Nearest Neighbors), SVM (Support Vector Machine), RF (Random Forest), NB (Naive Bayes).

#### Sous typages des adénomes

Des modèles ont été testés afin d'essayer de classifier selon les sous-types d'adénome. Les nodules étaient donc classés en HNF, adénome stéatosique, adénome inflammatoire, adénome β-caténine muté ou adénome non classable.

La même démarche a été utilisée que celle décrite ci-dessus (validation croisée sur 3 plis, correction de l'effet multi IRM, normalisation des données, sélection de paramètres, classification, puis évaluation du modèle sur la population test).

Néanmoins, du fait de la présence de plus de 2 classes il n'a pas été réalisé d'étape d'équilibrage des données, la méthode de sélection des données LASSO n'a pas pu être utilisée. De plus, nous n'avons utilisé que la classification KNN, et ce uniquement sur des données normalisées.

L'évaluation a été faite par classification selon :

- performance globale : nombre de lésions correctement classées/ nombre total de lésions

- performance de la classe : nombre de lésions correctement classées dans cette classe / nombre total de lésions dans cette classe

#### LLCER

Le rapport de contraste lésion-foie (LLCER) (83) est connu pour aider à distinguer adénome et HNF. Il a été évalué par la formule 100x[(SI<sub>Tpost</sub>/SI<sub>LVpost</sub>)-(SI<sub>Tpre</sub>/SI<sub>LVpre</sub>)]/(SI<sub>Tpre</sub>/SI<sub>LVpre</sub>) (où SITpost et SILVpost sont respectivement l'intensité moyenne du signal (SI) de la tumeur et du foie sur les séquences HBP, et SITpre et SILVpre sont les SI respectifs de la tumeur et du foie avant injection sur la même séquence T1 avant et après contraste). L'intensité moyenne du signal étant extraite avec les autres paramètres de texture sur les mêmes segmentations.

La reproductibilité du LLCER a été évaluée sur 10% des lésions après une seconde segmentation en utilisant la corrélation de concordance de Lin.

Un seuil optimal du LLCER pour distinguer HNF et adénome a été défini sur le groupe d'entrainement puis évalué sur le groupe de test pour estimer ses performances (Acc, Sen, Spe).

#### Traitement des données et analyse statistique

Les étapes de correction de l'effet multi IRM, de normalisation, de sélection des données et de classification ont été réalisées par un algorithme développé localement en langage R.

Les différences de caractéristiques démographiques, de texture ou des paramètres qualitatifs ont été testées avec les tests du  $\chi^2$  et de Kruskall Wallis avec un seuil de significativité à 0,05.

## Résultats

#### Population de l'étude

La population finale incluse pour l'étude était composée de 91 patients (moyenne d'âge 44 ans, tranche d'âge 19-82 ans). Il y avait 33 adénomes chez 22 patients (21 femmes et 1 homme) et 95 HNF chez 69 patients (57 femmes et 12 hommes).

19 patients avaient des HNF multiples (moyenne 2.36, rang 2-4) et 50 avaient des lésions uniques. 7 patients avaient des adénomes multiples (moyenne 2.57, rang 2-4) et 15 des lésions uniques.

Il n'y avait pas de différence de taille lésionnelle entre les deux groupes (p=0.2746, Kruskall Wallis)

La stéatose hépatique était présente dans 24,21 % des foies porteurs d'HNF et 21.21% des foies porteurs adénomes (p = 0.91).

Concernant les sous types d'adénome, notre population était composée de 55% d'adénomes inflammatoires (n=18), de 33% d'adénomes avec mutation HNF-1- $\alpha$  (n=11), de 9 % d'adénomes  $\beta$ -caténine mutés (n=3) et de 3% d'adénomes inclassés (n=1).

#### Analyse qualitative des images

Les caractéristiques iconographiques des lésions incluses sont résumées dans le tableau 1.

La prise de contraste artérielle était toujours présente en cas d'HNF (n=95) et présente dans 78.79% des adénome (n=26 ; p = <0.001). Une hypointensité en phase portale était retrouvée dans 27.27 % des adénomes (n=9) et seulement dans 1.05% des HNF (n=1 ; p <0.001).

Le signal en phase hépatobilliaire était significativement différent entre les deux groupes (p <0.001) mais dans notre série, 2.11% des HNF restaient hypointenses et 15.15 % des adénomes étaient iso- ou hyperintenses (2 adénomes inflammatoires et 3 adénomes  $\beta$ -caténine mutés).

Sémiologie IRM			FNH (n =		(n = 33)	P value	
Tailla (mm) Moyoppo		95)				(test du Chi²)	
Taille (mm)	Moyenne	32.9	32.94		6		
	Rang	10 -	10 - 99		140		
Stéatose	Présente	23	24,21%	7	21,21%	0,9109836	
nepatique	Absente	72	75,79%	26	78,79%		
Prise de	Absent	0	0,00%	7	21,21%	6,98E-06	
artérielle	Modérée	74	77,89%	24	72,73%		
	Fort	21	22,11%	2	6,06%		
Signal à la	Hypo-intense	1	1,05%	9	27,27%	7,99E-06	
priase portale	Iso-intense	28	29,47%	8	24,24%		
	Hyper-intense	66	69,47%	16	48,48%		
Signal à la	Hypo-intense	2	2,11%	28	84,85%	4,84E-21	
hépatobiliaire	Iso-intense	42	44,21%	3	9,09%		
	Hyper-intense	51	53,68%	2	6,06%		
Hypersignal en	cocarde	69	72,63%	1	3,03%	1,86E-11	
Hypersignal T1		3	3,16%	9	27,27%	0,00017842	
	Absent	19	20,00%	11	33,33%	0,02775628	

Hypersignal	Modéré	73	76,84%	18	54,55%	
12	Fort	3	3,16%	4	12,12%	
« Atoll sign »		0	0,00%	10	30,30%	1,87E-07
Cicatrice	T2	31	32,63%	0	0,00%	0,00040968
centrale	Prise de contraste	38	40,00%	0	0,00%	3,93E-05
Graisse intra-lésionnelle		0	0,00%	11	33,33%	3,29E-08
Lésion hétérogène		4	4,21%	3	9,09%	0,536626

Tableau ii : Paramètres qualitatifs des HNF et adénomes

## Reproductibilité

#### Paramètre de texture

Un total de 772 paramètres a été extrait par lésion. Parmi ceux-là, seuls ont été conservés les 345 dont le coefficient de corrélation de Lin était supérieur ou égal à 0.95

#### LLCER

Dans notre étude le rapport LLCER était peu reproductible avec un coefficient de corrélation de Lin à 0,33.

# Performances des méthodes de classification pour différencier HNF et adénome

Plusieurs modèles de classification combinant la normalisation des données, l'équilibrage des classes, la sélection de paramètres et les méthodes de classification ont permis de trouver des résultats significatifs.

Les meilleurs résultats ont été obtenu après normalisation des données et utilisation de la méthode de classification KNN dont les résultats sont résumés dans le tableau 2 et l'annexe 1, notamment lorsqu'on utilise une sélection des paramètres (Performance minimale moyenne 0.95 ; range 0,91-1). Les autres résultats sont reportés en annexe 2 et 3.

Sélection	Normalisation	SMOTE	Classif	ACC_Min	Sen_Min	Spe_Min	Bal Acc_Min
Boruta	1	0	KNN	1	1	1	1
Lasso	1	0	KNN	1	1	1	1
Lasso	1	SMOTE1	KNN	0,97674419	1	0,96428571	0,98214286
Lasso	1	SMOTE2	KNN	0,97674419	0,85714286	1	0,92857143
mRMRe	1	0	KNN	0,95348837	0,85714286	1	0,92857143
mRMRe	1	SMOTE2	KNN	0,93023256	1	0,89285714	0,94642857
Boruta	1	SMOTE1	KNN	0,90697674	1	0,85714286	0,92857143
Boruta	1	SMOTE2	KNN	0,90697674	0,57142857	0,96428571	0,7718254
mRMRe	1	SMOTE1	KNN	0,90697674	1	0,85714286	0,92857143
Tous	1	0	KNN	0,65116279	0	1	0
Tous	1	SMOTE1	KNN	0,55813953	0	0,60714286	0,45454545
Tous	1	SMOTE2	KNN	0,30232558	0,90909091	0,07142857	0,53571429

Tableau iii : Résumé des performances diagnostiques du classificateur KNN [Acc min= performance minimale sur les 3 itérations de la validation croisée (nombre de lésions bien classées/ nb total de lésion) ; Sen min = sensibilité minimale ; Spe min = spécificité minimale ; Bal acc min = minimum des moyennes de Sensibilité et Spécificité]

Une seconde analyse s'est intéressée aux paramètres les plus fréquemment sélectionnés après normalisation, par les 3 méthodes de sélection de paramètres soit sur un total de 27 tirages (selon les 3 types d'augmentation de données). Les 10 paramètres de textures les plus fréquents sont résumés dans le tableau 3. Seul 5 sont significativement différent entre les groupes adénome et HNF : HAP\_original\_shape\_Sphericity ; HBP\_original\_firstorder\_10Percentile ; HBP\_original\_firstorder\_Median ; HAP\_original\_glcm\_InverseVariance ; T1\_glcm\_InverseVariance.

Paramètre de texture	Fréquence (sur 27 tirages)	p (Kruskall Wallis)
HAP_original_shape_Sphericity	15	0,005514
HBP_original_glszm_LargeAreaHighGrayLevelEmphasis	13	0,5841
HBP_original_firstorder_10Percentile	12	0,04273
ADC_original_glszm_SizeZoneNonUniformity	11	0,3363

HBP_original_firstorder_Median	11	0,02662
HBP_original_firstorder_Minimum	11	0,0785
ADC_original_gldm_GrayLevelNonUniformity	10	0,09077
ADC_original_shape_SurfaceArea	10	0,1436
HAP_original_glcm_InverseVariance	10	0,001921
T1_glcm_InverseVariance	10	0,01071

Tableau iv : Fréquence et valeur des 10 paramètres de texture les plus fréquemment sélectionnées après normalisation (sur 27 sélections maximales possibles)

#### Performance du sous typage d'adénomes

Enfin nous avons étudié les performances de classification pour les sous-types d'adénomes stéatosiques et inflammatoires. La performance diagnostique moyenne a été évaluée après normalisation, sélection des paramètres par Boruta et classification par KNN à 0.94 (range 0.83-1).

Du fait de la répartition aléatoire des données en 3 plis, les classes adénomes  $\beta$ -caténine mutés (n=3) et inclassables (n=1) n'ont pas pu être évaluées : ces classes étaient soient entièrement dans la population d'entrainement soit entièrement dans la population de test.

#### **Performance LLCER**

Les performances de classification du LLCER ont été évaluée en moyenne à 0.80 et au minimum à 0.77.

	Acc min	Sen min	Spe min	Bal Acc min
LLCER	0,767442	0,533333	0,833333	0,713095

Tableau v : Résumé des performances diagnostiques du rapport LLCER [Acc min= performance minimale (nombre de lésions bien classées/ nb total de lésion) ; Sen min = sensibilité minimale ; Spe min = spécificité minimale ; Bal acc min = minimum des moyennes de Sensibilité et Spécificité)

## Discussion

La différenciation entre adénome et HNF en IRM est un vrai défi et a de réelles implications cliniques, les HNF étant indolentes et ne nécessitant pas de suivi contrairement aux adénomes qui peuvent présenter des complications hémorragiques ou une transformation maligne

(4,18). Notre étude propose des modèles (sélection de données et classification), qui, appliqués aux paramètres de texture, ont de très bonnes performances pour distinguer ces deux lésions.

Malgré les bonnes performances d'une analyse qualitative seule de l'IRM, notamment avec une phase hépatobiliaire, le diagnostic ne peut pas être toujours établi. En effet, dans la littérature, jusqu'à 10% des HNF étaient hypointenses à la phase hépatobilliaire (41,75,76) et jusqu'à 26% des adénomes étaient iso- ou hyperintenses (43,77,78). Notre série est en accord avec ces données car 2.11% des HNF restaient hypointenses et 15.15 % des adénomes étaient iso- ou hyperintenses.

Dans notre population, cet iso- ou hypersignal n'était que sur des adénomes de type inflammatoire ou  $\beta$ -caténine muté. Ceci est concordant avec la méta-analyse de Guo et al (84) où 100% des adénomes mutés HNF-1- $\alpha$  étaient hypointenses contre 75 % des adénomes inflammatoires, 57% des adénomes  $\beta$ -caténine mutés et 92% des adénomes non classés.

Concernant l'analyse de texture nous avons voulus par cette étude tester différents modèles de classification pour différencier adénome et HNF à l'aide de paramètres de premier et second ordre.

Les performances de l'analyse de texture pour différencier adénome et HNF en IRM ont été très peu étudiées dans la littérature. A notre connaissance seul Cannella et al (85) ont étudié la question. Ils ont montré que l'analyse de texture de premier ordre retrouvait des différences significatives entre différents paramètres de texture, sans supériorité des performances diagnostiques. Ils ont également réalisé une régression logistique en combinant les paramètres de texture significativement différents et la présence d'une hypointensité à la phase hépatobiliaire. Le modèle résultant a montré de bonnes performances supérieures à l'étude qualitative seule (AUROC à 0.941).

Cependant leur étude présentait comme biais principal l'absence de population d'entrainement et donc de validation interne. Ils n'ont pas non plus étudié la distribution spatiale et l'interdépendance des voxels entre eux (paramètres de 2ème ordre). On note de plus que cette analyse a été réalisée avec un produit de contraste différent (Gadolinium EOB-DTPA).

Notre étude a voulu tester de façon systématique des combinaisons d'équilibrage de données, de sélection de paramètres et de méthodes de classification.

Le modèle KNN après normalisation des paramètres a montré dans notre étude de très bonnes performances avec toutes les méthodes de sélection de paramètres et d'équilibrage des données (performance minimale moyenne sur les sélections de données et équilibrage des données 0.95 ; range 0,91-1).

Ces très bonnes performances de KNN en comparaison aux méthodes de classification n'est pas évidente à expliquer, possiblement liée à la distribution des données particulièrement adaptée à KNN. La performance du modèle KNN chute néanmoins drastiquement en l'absence de normalisation, ce qui est cohérent compte tenu de la dépendance de ce modèle aux valeurs absolues des variables qui doivent contribuer dans la même dimension. De plus, comme attendu, en l'absence de sélection des paramètres, les performances de KNN sont aussi abaissées ; en effet, cette méthode est très sensible à la dimension des données, qui est élevée en l'absence de sélection (345).

Nous avons également pu remarquer au cours de la validation croisée en 3 plis (3-fold cross validation) que les paramètres sélectionnés par les algorithmes (KNN et tous les autres) et leur nombre étaient extrêmement variable en fonction de l'échantillon d'entrainement. Ceci pose la question de la stabilité des modèles de radiomique et de leur reproductibilité. Néanmoins, rares sont les études qui ont recherché ce type de variation ; la majorité des études se contente d'un apprentissage sur population d'entrainement et une validation sur une population test, ce qui ne permet pas de mettre en évidence une telle variabilité.

Parmi les paramètres les plus sélectionnés, deux sont attendus et explicables : HBP\_original\_firstorder\_10Percentile et HBP\_original\_firstorder\_Median, qui sont donc le 10<sup>e</sup> percentile et la médiane de l'histogramme sur la phase hépatobiliaire. Ils reflètent bien les différences de signal entres les 2 groupes à la phase hépatobiliaire.

Deux paramètres traduisant les caractéristiques de l'image ont été aussi sélectionnés, HAP\_original\_glcm\_InverseVariance et T1\_glcm\_InverseVariance. L'interprétation de ces paramètres reste néanmoins plus difficile.

La seconde partie de l'étude étudiant la classification des adénomes selon leur sous-type par le classificateur KNN a montré des résultats encourageants mais encore limité, notamment du fait d'un nombre très faible d'adénomes β-caténine mutés.

Les performances diagnostiques sont dans notre série correcte pour classer les sous types stéatosiques et inflammatoires mais non évaluable pour les adénomes  $\beta$ -caténine mutés et non classés du fait de leur faible représentation dans l'effectif (n=4). Des études complémentaires sur de plus grand effectifs seraient certainement plus informatives.

Nous avons également pu tester le rapport LLCER. Dans notre série sa reproductibilité était mauvaise avec un coefficient de corrélation de Lin à 0,33. Cette reproductibilité apparait nettement inférieure à celle décrite dans la littérature (ICC=0,8(83)). Ses performances diagnostiques étaient correctes mais il semble moins performant que notre modèle basé sur l'analyse de texture.

Enfin, notre étude présente comme limite principale son caractère rétrospectif et surtout monocentrique. Une validation externe sur une autre population permettrait d'envisager une application clinique de ces méthodes de sélection.

# Conclusion

L'analyse de texture en complément de l'étude qualitative de l'IRM avec phase hépatobiliaire présente un réel intérêt pour la différenciation des adénomes et des HNF. En effet les méthodes de classifications à l'aide de la méthode KNN après normalisation des paramètres

ont montré dans notre étude de très bonnes performances (Performance minimale moyenne 0.95 ; range 0,91-1).

Les performances de la radiomique pour la classification des sous-types d'adénomes sont, déjà dans ce travail, encourageantes mais nécessitent des études supplémentaires avec une plus grande population de sous-types.

# CONCLUSION

Les adénomes et les hyperplasies nodulaires focales constituent deux types de tumeurs hépatocytaires bénignes essentiellement rencontrées chez la femme jeune.

Bien qu'ayant une pathogénie radicalement différente, ces lésions présentent des similitudes notamment d'un point de vue iconographique. Cependant leur différenciation reste primordiale compte tenu des implications cliniques et pronostiques.

Le but de notre étude était de proposer un algorithme de classification par analyse de texture pour différencier adénome et HNF en se basant sur les images IRM après injection de Gadobenate de dimeglumine.

Dans un second temps nous avons étudié les capacités de ces algorithmes pour sous-typer les adénomes.

Enfin nous avons également analysé les performances du rapport LLCER (lesion-to-liver contrast enhancement ratio) qui permet une étude quantitative de la prise de contraste à la phase hépatobilliaire.

Plusieurs modèles de classification combinant la normalisation des données, l'équilibrage des classes, la sélection de paramètres et les méthodes de classification ont permis de trouver des résultats significatifs.

Les meilleurs résultats ont été obtenu après normalisation des données et utilisation de la méthode de classification KNN (Performance minimale moyenne 0.95 ; range 0,91-1).

Pour la classification des sous-types d'adénomes stéatosiques et inflammatoires la performance a été évaluée à 0.94 (range 0.83-1).

Les performances de classification du LLCER ont été évaluées en moyenne à 0.80 et au minimum à 0.77.

En conclusion, l'analyse de texture en complément de l'étude qualitative de l'IRM avec phase hépatobiliaire présente un réel intérêt pour la différenciation des adénomes et des HNF. En effet, les méthodes de classification à l'aide du modèle KNN après normalisation des paramètres ont montré, dans notre étude, de très bonnes performances (Performance minimale moyenne 0.95 ; range 0,91-1).

L'intérêt de l'analyse de texture dans la classification des sous-types d'adénomes nécessite des investigations supplémentaires mais montre déjà dans cette étude des résultats encourageants.

Clermont-Ferrand le



Pierre CLAVELOU

Doyca – Directeur

Glermont-Ferrand le Louis BOYER Le président du Jury,

# **Bibliographie :**

- 1. Vilgrain V. Focal nodular hyperplasia. European Journal of Radiology. mai 2006;58(2):236-45.
- 2. Marrero JA, Ahn J, Reddy RK. ACG Clinical Guideline: The Diagnosis and Management of Focal Liver Lesions. American Journal of Gastroenterology. sept 2014;109(9):1328-47.
- 3. Rubin RA, Mitchell DG. EVALUATION OF THE SOLID HEPATIC MASS. Medical Clinics of North America. sept 1996;80(5):907-28.
- 4. EASL Clinical Practice Guidelines on the management of benign liver tumours. Journal of Hepatology. août 2016;65(2):386-98.
- 5. Mathieu D, Kobeiter H, Maison P, Rahmouni A, Cherqui D, Zafrani ES, et al. Oral contraceptive use and focal nodular hyperplasia of the liver. Gastroenterology. mars 2000;118(3):560-4.
- 6. Kuo et al. 2009 Natural course of hepatic focal nodular hyperplasi.pdf.
- 7. Brancatelli G, Federle MP, Grazioli L, Blachar A, Peterson MS, Thaete L. Focal Nodular Hyperplasia: CT Findings with Emphasis on Multiphasic Helical CT in 78 Patients. Radiology. avr 2001;219(1):61-8.
- 8. Vilgrain V, Uzan F, Brancatelli G, Federle MP, Zappa M, Menu Y. Prevalence of Hepatic Hemangioma in Patients with Focal Nodular Hyperplasia: MR Imaging Analysis. Radiology. oct 2003;229(1):75-9.
- Nguyen BN, Fléjou JF, Terris B, Belghiti J, Degott C. Focal nodular hyperplasia of the liver: a comprehensive pathologic study of 305 lesions and recognition of new histologic forms. Am J Surg Pathol. déc 1999;23(12):1441-54.
- 10. Cazals-Hatem D, Vilgrain V, Genin P, Denninger M-H, Durand F, Belghiti J, et al. Arterial and portal circulation and parenchymal changes in Budd-Chiari syndrome: a study in 17 explanted livers. Hepatology. mars 2003;37(3):510-9.
- 11. Gincul R, Lesca G, Gelas-Dore B, Rollin N, Barthelet M, Dupuis-Girod S, et al. Evaluation of previously nonscreened hereditary hemorrhagic telangiectasia patients shows frequent liver involvement and early cardiac consequences. Hepatology. nov 2008;48(5):1570-6.
- 12. Kim T, Murakami T, Sugihara E, Hori M, Wakasa K, Nakamura H. Hepatic nodular lesions associated with abnormal development of the portal vein. AJR Am J Roentgenol. nov 2004;183(5):1333-8.
- 13. Bureau C, Péron JM, Sirach E, Selves J, Otal P, Vinel JP. Liver nodules ressembling focal nodular hyperplasia after portal vein thrombosis. J Hepatol. sept 2004;41(3):499-500.
- 14. Bathe OF, Mies C, Franceschi D, Casillas J, Livingstone AS. Massive hemorrhage and infarction complicating focal nodular hyperplasia of the liver. HPB (Oxford). 2003;5(2):123-6.
- 15. Demarco MP, Shen P, Bradley RF, Levine EA. Intraperitoneal hemorrhage in a patient with hepatic focal nodular hyperplasia. Am Surg. juin 2006;72(6):555-9.

- 16. Rooks JB, Ory HW, Ishak KG, Strauss LT, Greenspan JR, Hill AP, et al. Epidemiology of hepatocellular adenoma. The role of oral contraceptive use. JAMA. 17 août 1979;242(7):644-8.
- 17. Bossen L, Grønbaek H, Lykke Eriksen P, Jepsen P. Men with biopsy-confirmed hepatocellular adenoma have a high risk of progression to hepatocellular carcinoma: A nationwide population-based study. Liver Int. juill 2017;37(7):1042-6.
- 18. Klompenhouwer AJ, Man RA, Dioguardi Burgio M, Vilgrain V, Zucman-Rossi J, Ijzermans JNM. New insights in the management of Hepatocellular Adenoma. Liver Int. juill 2020;40(7):1529-37.
- 19. Valla D-C. Tumeurs bénignes du foie: hyperplasie nodulaire focale et adénomes. In: Greff M, éditeur. Post'U FMC-HGE [Internet]. Paris: Springer Paris; 2009 [cité 25 mai 2021]. p. 138-46. Disponible sur: http://link.springer.com/10.1007/978-2-287-99247-6\_18
- Rebouissou S, Imbeaud S, Balabaud C, Boulanger V, Bertrand-Michel J, Tercé; F, et al. HNF1α Inactivation Promotes Lipogenesis in Human Hepatocellular Adenoma Independently of SREBP-1 and Carbohydrate-response Element-binding Protein (ChREBP) Activation. Journal of Biological Chemistry. mai 2007;282(19):14437-46.
- 21. Bioulac-Sage P, Rebouissou S, Thomas C, Blanc J-F, Saric J, Sa Cunha A, et al. Hepatocellular adenoma subtype classification using molecular markers and immunohistochemistry. Hepatology. sept 2007;46(3):740-8.
- 22. Zucman-Rossi J, Jeannot E, Van Nhieu JT, Scoazec J-Y, Guettier C, Rebouissou S, et al. Genotype–phenotype correlation in hepatocellular adenoma: New classification and relationship with HCC. Hepatology. mars 2006;43(3):515-24.
- 23. Bacq Y, Jacquemin E, Balabaud C, Jeannot E, Scotto B, Branchereau S, et al. Familial liver adenomatosis associated with hepatocyte nuclear factor 1alpha inactivation. Gastroenterology. nov 2003;125(5):1470-5.
- 24. Nault J-C, Couchy G, Balabaud C, Morcrette G, Caruso S, Blanc J-F, et al. Molecular Classification of Hepatocellular Adenoma Associates With Risk Factors, Bleeding, and Malignant Transformation. Gastroenterology. mars 2017;152(4):880-894.e6.
- 25. Barbier L, Nault J-C, Dujardin F, Scotto B, Besson M, de Muret A, et al. Natural history of liver adenomatosis: A long-term observational study. J Hepatol. déc 2019;71(6):1184-92.
- 26. Bioulac-Sage P, Laumonier H, Laurent C, Zucman-Rossi J, Balabaud C. Hepatocellular adenoma: what is new in 2008. Hepatol Int. sept 2008;2(3):316-21.
- 27. Rebouissou S, Franconi A, Calderaro J, Letouzé E, Imbeaud S, Pilati C, et al. Genotypephenotype correlation of *CTNNB1* mutations reveals different ß-catenin activity associated with liver tumor progression: Hepatology, Vol. XX, No. X, 2016 Rebouissou, Franconi, et al. Hepatology. déc 2016;64(6):2047-61.
- 28. Klompenhouwer AJ, Thomeer MGJ, Dinjens WNM, Man RA, Ijzermans JNM, Doukas M. Phenotype or Genotype: Decision-Making Dilemmas in Hepatocellular Adenoma. Hepatology. nov 2019;70(5):1866-8.
- 29. Baum JK, Bookstein JJ, Holtz F, Klein EW. Possible association between benign hepatomas and oral contraceptives. Lancet. 27 oct 1973;2(7835):926-9.

- 30. Baek S, Sloane CE, Futterman SC. Benign liver cell adenoma associated with use of oral contraceptive agents. Ann Surg. mars 1976;183(3):239-42.
- 31. Bioulac-Sage P, Taouji S, Possenti L, Balabaud C. Hepatocellular adenoma subtypes: the impact of overweight and obesity. Liver Int. sept 2012;32(8):1217-21.
- 32. Matern D, Starzl TE, Arnaout W, Barnard J, Bynon JS, Dhawan A, et al. Liver transplantation for glycogen storage disease types I, III, and IV. Eur J Pediatr. nov 1999;158(S2):S043-8.
- 33. See KL, See M, Gluud C. Liver pathology associated with the use of anabolic-androgenic steroids. Liver. 10 déc 2008;12(2):73-9.
- 34. Buetow PC, Pantongrag-Brown L, Buck JL, Ros PR, Goodman ZD. Focal nodular hyperplasia of the liver: radiologic-pathologic correlation. Radiographics. mars 1996;16(2):369-88.
- 35. Vilgrain V, Fléjou JF, Arrivé L, Belghiti J, Najmark D, Menu Y, et al. Focal nodular hyperplasia of the liver: MR imaging and pathologic correlation in 37 patients. Radiology. sept 1992;184(3):699-703.
- 36. Mortelé KJ, Praet M, Van Vlierberghe H, Kunnen M, Ros PR. CT and MR Imaging Findings in Focal Nodular Hyperplasia of the Liver: Radiologic—Pathologic Correlation. American Journal of Roentgenology. sept 2000;175(3):687-92.
- 37. Kehagias D, Moulopoulos L, Antoniou A, Hatziioannou A, Smyrniotis V, Trakadas S, et al. Focal nodular hyperplasia: imaging findings. European Radiology. 16 janv 2001;11(2):202-12.
- 38. Agnello F, Ronot M, Valla DC, Sinkus R, Van Beers BE, Vilgrain V. High- b Value Diffusionweighted MR Imaging of Benign Hepatocellular Lesions: Quantitative and Qualitative Analysis. Radiology. févr 2012;262(2):511-9.
- 39. Laumonier H, Bioulac-Sage P, Laurent C, Zucman-Rossi J, Balabaud C, Trillaud H. Hepatocellular adenomas: Magnetic resonance imaging features as a function of molecular pathological classification. Hepatology. sept 2008;48(3):808-18.
- 40. Zulfiqar M, Sirlin CB, Yoneda N, Ronot M, Hecht EM, Chernyak V, et al. Hepatocellular adenomas: Understanding the pathomolecular lexicon, MRI features, terminology, and pitfalls to inform a standardized approach. J Magn Reson Imaging. juin 2020;51(6):1630-40.
- 41. Grazioli L, Morana G, Kirchin MA, Schneider G. Accurate Differentiation of Focal Nodular Hyperplasia from Hepatic Adenoma at Gadobenate Dimeglumine–enhanced MR Imaging: Prospective Study. Radiology. juill 2005;236(1):166-77.
- 42. Grieser C, Steffen IG, Seehofer D, Kramme I-B, Uktolseya R, Scheurig-Muenkler C, et al. Histopathologically confirmed focal nodular hyperplasia of the liver: gadoxetic acid-enhanced MRI characteristics. Magn Reson Imaging. juin 2013;31(5):755-60.
- 43. Grazioli L, Bondioni MP, Haradome H, Motosugi U, Tinti R, Frittoli B, et al. Hepatocellular Adenoma and Focal Nodular Hyperplasia: Value of Gadoxetic Acid—enhanced MR Imaging in Differential Diagnosis. Radiology. févr 2012;262(2):520-9.
- 44. Suh CH, Kim KW, Kim GY, Shin YM, Kim PN, Park SH. The diagnostic value of Gd-EOB-DTPA-MRI for the diagnosis of focal nodular hyperplasia: a systematic review and meta-analysis. Eur Radiol. avr 2015;25(4):950-60.

- 45. Roux M, Pigneur F, Calderaro J, Baranes L, Chiaradia M, Tselikas L, et al. Differentiation of focal nodular hyperplasia from hepatocellular adenoma: Role of the quantitative analysis of gadobenate dimeglumine-enhanced hepatobiliary phase MRI: Quantitative Gd-BOPTA MRI of FNH and HCA. J Magn Reson Imaging. nov 2015;42(5):1249-58.
- 46. Bertin C, Egels S, Wagner M, Huynh-Charlier I, Vilgrain V, Lucidarme O. Contrast-enhanced ultrasound of focal nodular hyperplasia: a matter of size. Eur Radiol. oct 2014;24(10):2561-71.
- 47. Uggowitzer MM, Kugler C, Mischinger HJ, Gröll R, Ruppert-Kohlmayr A, Preidler KW, et al. Echo-enhanced Doppler sonography of focal nodular hyperplasia of the liver. J Ultrasound Med. juill 1999;18(7):445-51; quiz 453-4.
- 48. Eisenhauer EA, Therasse P, Bogaerts J, Schwartz LH, Sargent D, Ford R, et al. New response evaluation criteria in solid tumours: revised RECIST guideline (version 1.1). Eur J Cancer. janv 2009;45(2):228-47.
- 49. Noels JE, van Aalten SM, van der Windt DJ, Kok NFM, de Man RA, Terkivatan T, et al. Management of hepatocellular adenoma during pregnancy. J Hepatol. mars 2011;54(3):553-8.
- 50. Huurman VAL, Schaapherder AFM. Management of ruptured hepatocellular adenoma. Dig Surg. 2010;27(1):56-60.
- 51. van Vledder MG, van Aalten SM, Terkivatan T, de Man RA, Leertouwer T, IJzermans JNM. Safety and Efficacy of Radiofrequency Ablation for Hepatocellular Adenoma. Journal of Vascular and Interventional Radiology. juin 2011;22(6):787-93.
- 52. Limkin EJ, Sun R, Dercle L, Zacharaki EI, Robert C, Reuzé S, et al. Promises and challenges for the implementation of computational medical imaging (radiomics) in oncology. Ann Oncol. 1 juin 2017;28(6):1191-206.
- 53. Lubner MG, Smith AD, Sandrasegaran K, Sahani DV, Pickhardt PJ. CT Texture Analysis: Definitions, Applications, Biologic Correlates, and Challenges. RadioGraphics. sept 2017;37(5):1483-503.
- 54. Vande Perre S, Duron L, Milon A, Nougaret S, Fournier L, Thomassin-Naggara I. Radiomique : mode d'emploi. Méthodologie et exemples d'application en imagerie de la femme. Imagerie de la Femme. mars 2019;29(1):25-33.
- 55. Aerts HJWL, Velazquez ER, Leijenaar RTH, Parmar C, Grossmann P, Carvalho S, et al. Decoding tumour phenotype by noninvasive imaging using a quantitative radiomics approach. Nat Commun. 3 juin 2014;5:4006.
- 56. Gillies RJ, Kinahan PE, Hricak H. Radiomics: Images Are More than Pictures, They Are Data. Radiology. févr 2016;278(2):563-77.
- 57. Bologna M, Corino V, Mainardi L. Technical Note: Virtual phantom analyses for preprocessing evaluation and detection of a robust feature set for MRI-radiomics of the brain. Med Phys. nov 2019;46(11):5116-23.
- 58. Rai R, Holloway LC, Brink C, Field M, Christiansen RL, Sun Y, et al. Multicenter evaluation of MRI-based radiomic features: A phantom study. Med Phys. juill 2020;47(7):3054-63.

- 59. Bianchini L, Santinha J, Loução N, Figueiredo M, Botta F, Origgi D, et al. A multicenter study on radiomic features from T<sub>2</sub> -weighted images of a customized MR pelvic phantom setting the basis for robust radiomic models in clinics. Magn Reson Med. mars 2021;85(3):1713-26.
- 60. Parmar C, Rios Velazquez E, Leijenaar R, Jermoumi M, Carvalho S, Mak RH, et al. Robust Radiomics feature quantification using semiautomatic volumetric segmentation. PLoS One. 2014;9(7):e102107.
- 61. Zhao B, Tan Y, Tsai W-Y, Qi J, Xie C, Lu L, et al. Reproducibility of radiomics for deciphering tumor phenotype with imaging. Sci Rep. 24 mars 2016;6:23428.
- 62. Ng F, Kozarski R, Ganeshan B, Goh V. Assessment of tumor heterogeneity by CT texture analysis: can the largest cross-sectional area be used as an alternative to whole tumor analysis? Eur J Radiol. févr 2013;82(2):342-8.
- 63. Ortiz-Ramon R, Larroza A, Arana E, Moratal D. A radiomics evaluation of 2D and 3D MRI texture features to classify brain metastases from lung cancer and melanoma. Annu Int Conf IEEE Eng Med Biol Soc. juill 2017;2017:493-6.
- 64. Fedorov A, Beichel R, Kalpathy-Cramer J, Finet J, Fillion-Robin J-C, Pujol S, et al. 3D Slicer as an image computing platform for the Quantitative Imaging Network. Magn Reson Imaging. nov 2012;30(9):1323-41.
- 65. Tibshirani R. Regression Shrinkage and Selection via the Lasso. Journal of the Royal Statistical Society Series B (Methodological). 1996;58(1):267-88.
- 66. Kursa MB, Rudnicki WR. Feature Selection with the Boruta Package. Journal of Statistical Software. 16 sept 2010;36(1):1-13.
- 67. Peng H, Long F, Ding C. Feature Selection Based On Mutual Information: Criteria of Max-Dependency, Max-Relevance, and Min-Redundancy. IEEE transactions on pattern analysis and machine intelligence. 1 sept 2005;27:1226-38.
- 68. Cover T, Hart P. Nearest neighbor pattern classification. IEEE Transactions on Information Theory. janv 1967;13(1):21-7.
- 69. Breiman L. Random Forests. Machine Learning. 1 oct 2001;45(1):5-32.
- 70. Shawe-Taylor J, Bartlett PL, Williamson RC, Anthony M. Structural risk minimization over data-dependent hierarchies. IEEE Transactions on Information Theory. sept 1998;44(5):1926-40.
- 71. Intro to Machine Learning in R (K Nearest Neighbours Algorithm) [Internet]. [cité 3 juin 2021]. Disponible sur: https://ourcodingclub.github.io/tutorials/machine-learning/
- 72. Bonder A, Afdhal N. Evaluation of liver lesions. Clin Liver Dis. mai 2012;16(2):271-83.
- 73. Karhunen PJ. Benign hepatic tumours and tumour like conditions in men. J Clin Pathol. févr 1986;39(2):183-8.
- 74. Bieze M, van den Esschert JW, Nio CY, Verheij J, Reitsma JB, Terpstra V, et al. Diagnostic accuracy of MRI in differentiating hepatocellular adenoma from focal nodular hyperplasia:

prospective study of the additional value of gadoxetate disodium. AJR Am J Roentgenol. juill 2012;199(1):26-34.

- 75. Pirovano G, Vanzulli A, Marti-Bonmati L, Grazioli L, Manfredi R, Greco A, et al. Evaluation of the accuracy of gadobenate dimeglumine-enhanced MR imaging in the detection and characterization of focal liver lesions. AJR Am J Roentgenol. oct 2000;175(4):111-20.
- 76. An HS, Park HS, Kim YJ, Jung SI, Jeon HJ. Focal nodular hyperplasia: characterisation at gadoxetic acid-enhanced MRI and diffusion-weighted MRI. Br J Radiol. août 2013;86(1028):20130299.
- 77. Grieser C, Steffen IG, Kramme I-B, Bläker H, Kilic E, Fernandez CMP, et al. Gadoxetic acid enhanced MRI for differentiation of FNH and HCA: a single centre experience. Eur Radiol. juin 2014;24(6):1339-48.
- 78. Glockner JF, Lee CU, Mounajjed T. Inflammatory hepatic adenomas: Characterization with hepatobiliary MRI contrast agents. Magn Reson Imaging. avr 2018;47:103-10.
- 79. van Griethuysen JJM, Fedorov A, Parmar C, Hosny A, Aucoin N, Narayan V, et al. Computational Radiomics System to Decode the Radiographic Phenotype. Cancer Res. 1 nov 2017;77(21):e104-7.
- 80. Orlhac F, Lecler A, Savatovski J, Goya-Outi J, Nioche C, Charbonneau F, et al. How can we combat multicenter variability in MR radiomics? Validation of a correction procedure. Eur Radiol. avr 2021;31(4):2272-80.
- 81. Orlhac F, Frouin F, Nioche C, Ayache N, Buvat I. Validation of A Method to Compensate Multicenter Effects Affecting CT Radiomics. Radiology. avr 2019;291(1):53-9.
- 82. Chawla NV, Bowyer KW, Hall LO, Kegelmeyer WP. SMOTE: Synthetic Minority Over-sampling Technique. Journal of Artificial Intelligence Research. 1 juin 2002;16:321-57.
- 83. Roux M, Pigneur F, Calderaro J, Baranes L, Chiaradia M, Tselikas L, et al. Differentiation of focal nodular hyperplasia from hepatocellular adenoma: Role of the quantitative analysis of gadobenate dimeglumine-enhanced hepatobiliary phase MRI: Quantitative Gd-BOPTA MRI of FNH and HCA. J Magn Reson Imaging. nov 2015;42(5):1249-58.
- 84. Guo Y, Li W, Xie Z, Zhang Y, Fang Y, Cai W, et al. Diagnostic Value of Gd-EOB-DTPA-MRI for Hepatocellular Adenoma: A Meta-Analysis. J Cancer. 2017;8(7):1301-10.
- 85. Cannella R, Rangaswamy B, Minervini MI, Borhani AA, Tsung A, Furlan A. Value of Texture Analysis on Gadoxetic Acid–Enhanced MRI for Differentiating Hepatocellular Adenoma From Focal Nodular Hyperplasia. American Journal of Roentgenology. mars 2019;212(3):538-46.

# Annexes

Sélection	Normalisation	SMOTE	Classif	ACC_Min	ACC_moy	ACC_Max	Sen_Min	Sen_moy	Sen_Max
Boruta	1	0	KNN	1	1	1	1	1	1
Lasso	1	0	KNN	1	1	1	1	1	1
Lasso	1	SMOTE1	KNN	0,97674419	0,99224806	1	1	1	1
Lasso	1	SMOTE2	KNN	0,97674419	0,99224806	1	0,85714286	0,95238095	1
mRMRe	1	0	KNN	0,95348837	0,97674419	1	0,85714286	0,90793651	1
mRMRe	1	SMOTE2	KNN	0,93023256	0,97674419	1	1	1	1
Boruta	1	SMOTE1	KNN	0,90697674	0,96899225	1	1	1	1
Boruta	1	SMOTE2	KNN	0,90697674	0,96124031	1	0,57142857	0,85714286	1
mRMRe	1	SMOTE1	KNN	0,90697674	0,96899225	1	1	1	1
Tous	1	0	KNN	0,65116279	0,74215578	0,8372093	0	0	0
Tous	1	SMOTE1	KNN	0,55813953	0,6799557	0,76744186	0	0,30707071	0,46666667
Tous	1	SMOTE2	KNN	0,30232558	0,37541528	0,42857143	0,90909091	0,96969697	1
Sélection	Normalisation	SMOTE	Classif	Spe_Min	Spe_moy	Spe_Max	Bal Acc_Min	Bal Acc_moy	Bal Acc_Max
Boruta	1	0	KNN	1	1		4	4	1
Lasso				-	-	1	1	T	-
	1	0	KNN	1	1	1	1	1	1
Lasso	1	0 SMOTE1	KNN	1 0,96428571	1 0,98809524	1 1 1	1 1 0,98214286	1 1 0,99404762	1
Lasso Lasso	1 1 1	0 SMOTE1 SMOTE2	KNN KNN KNN	1 0,96428571 1	1 0,98809524 1	1 1 1 1	1 1 0,98214286 0,92857143	1 1 0,99404762 0,97619048	1 1 1 1
Lasso Lasso mRMRe	1 1 1 1	0 SMOTE1 SMOTE2 0	KNN KNN KNN KNN	1 0,96428571 1 1	1 0,98809524 1 1	1 1 1 1 1	1 1 0,98214286 0,92857143 0,92857143	1 1 0,99404762 0,97619048 0,95396825	1 1 1 1 1 1 1
Lasso Lasso mRMRe mRMRe	1 1 1 1 1	0 SMOTE1 SMOTE2 0 SMOTE2	KNN KNN KNN KNN	1 0,96428571 1 1 0,89285714	1 0,98809524 1 1 0,96428571	1 1 1 1 1 1 1	1 0,98214286 0,92857143 0,92857143 0,94642857	1 0,99404762 0,97619048 0,95396825 0,98214286	1 1 1 1 1
Lasso Lasso mRMRe mRMRe Boruta	1 1 1 1 1 1 1	0 SMOTE1 SMOTE2 0 SMOTE2 SMOTE1	KNN KNN KNN KNN KNN KNN	1 0,96428571 1 0,89285714 0,85714286	1 0,98809524 1 0,96428571 0,95238095	1 1 1 1 1 1 1 1 1	1 0,98214286 0,92857143 0,92857143 0,94642857 0,92857143	1 0,99404762 0,97619048 0,95396825 0,98214286 0,97619048	1 1 1 1 1 1 1 1
Lasso Lasso mRMRe mRMRe Boruta Boruta	1 1 1 1 1 1 1 1 1	0 SMOTE1 SMOTE2 0 SMOTE2 SMOTE2 SMOTE2	KNN KNN KNN KNN KNN KNN	1 0,96428571 1 0,89285714 0,85714286 0,96428571	1 0,98809524 1 1 0,96428571 0,95238095 0,97883598	1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1	1 0,98214286 0,92857143 0,92857143 0,94642857 0,92857143 0,97718254	1 0,99404762 0,97619048 0,95396825 0,98214286 0,97619048 0,91798942	- 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1
Lasso Lasso mRMRe mRMRe Boruta Boruta mRMRe	1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1	0 SMOTE1 SMOTE2 0 SMOTE2 SMOTE1 SMOTE1 SMOTE1	KNN KNN KNN KNN KNN KNN	1 0,96428571 1 0,89285714 0,85714286 0,96428571 0,85714286	1 0,98809524 1 0,96428571 0,95238095 0,97883598 0,95238095	1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1	1 0,98214286 0,92857143 0,92857143 0,94642857 0,92857143 0,7718254 0,92857143	1 0,99404762 0,97619048 0,95396825 0,98214286 0,97619048 0,97619048	1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1
Lasso Lasso mRMRe mRMRe Boruta Boruta mRMRe Tous	1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1	0 SMOTE1 SMOTE2 0 SMOTE2 SMOTE1 SMOTE1 SMOTE1 0	KNN KNN KNN KNN KNN KNN KNN	1 0,96428571 1 0,89285714 0,85714286 0,96428571 0,85714286	1 0,98809524 1 0,96428571 0,95238095 0,97883598 0,95238095 1	1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1	1 0,98214286 0,92857143 0,92857143 0,94642857 0,92857143 0,7718254 0,92857143 0,92857143	1 0,99404762 0,97619048 0,95396825 0,98214286 0,97619048 0,91798942 0,97619048 0,93333333	1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 0,5
Lasso Lasso mRMRe mRMRe Boruta Boruta mRMRe Tous Tous	1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1	0 SMOTE1 SMOTE2 0 SMOTE2 SMOTE1 SMOTE1 0 SMOTE1	KNN KNN KNN KNN KNN KNN KNN	1 0,96428571 1 0,89285714 0,85714286 0,96428571 0,85714286 1 0,85714286	1 0,98809524 1 0,96428571 0,95238095 0,97883598 0,95238095 1 0,977675371	1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 0,91666667	1 0,98214286 0,92857143 0,92857143 0,94642857 0,92857143 0,7718254 0,92857143 0,92857143	1 0,99404762 0,97619048 0,95396825 0,98214286 0,97619048 0,91798942 0,97619048 0,3333333 0,48326118	1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 0,5 3 690476

Annexe 1: Performances de l'analyse de texture avec le classificateur KNN
To	To	To	mRMf	Boru	Las	Boru	To	Tot	mRMF	Lass	To	Las	Las	Boru	To	Boru	mRMF	Boru	To	To	Boru	To	10	70	To	To	Tot	To	To	To	Las	Lass	Las	To	To	LUSS	To	mRMF	Las	10	Boru	Tou	To	mRMF	Boru	Rom	mRMI	Lass	Las	Las	Boru	selectic
15	15	IS	ñ		0 0	í	5	15	Ř	ö	15	ö	ö	60	7 0		ľ	ú	15	15		7	5 55	15	15	15	15	5	5	ā č	5 6	0	ö	15	5	6 0	5	ñ	6 6	7 17	ŭ	IS	IS	ñ	6	s r	6.0	ö	ö	ö	ď	n Rescaled
0 SMOTE2	0 SMOTE2	1	1	0 SMOTE2	0 SMOTE2	0 SMOTE2	0 SMOTE2	1 SMOTE2	0 SMOTE1	1 SMOTE1	1 SMOTE1	0 SMOTE1	0 SMOTE2	0 SMOTE2	D SMOTE1	1 SMOTE1	. 0	0	0 SMOTE1	1 SMOTE2			0 SMOTET	0 SMOTE2	0 SMOTE1	0	1 SMOTE2	1 SMOTE1	1 SMOTE2		0	1	1 SMOTE1	0				0	- 1		0	0	1 SMOTE2	1 SMOTE1	1 SMOTE2	1 SMOTE1	1 SMOTES	1 SMOTE2	1 SMOTE1	-	1	SMOTE
먂	SVM	0 SVM	0 RF	NB	KNN	KNIN	SVM	SVM	NB	NB	KNN	Ŗŗ	쮸	RF	SVM	U RF	NB	0 KNN	SVM	NB	O NB		SVM	SVM	SVM	0 SVM	SVM	SVM	SVM	O SVM	0 Lasso	0 Lasso	Lasso	0 KNN	O KNN	유주	O SVM	0 KNN			유	0 SVM	SVM	KNN	KNN	KNN		KNN	KNN	KNN	0 KNN	classif
0,52564103	0,53488372	0,53488372	0,53488372	0,53488372	0,53488372	0,54545455	0,55813953	0,55813953	0,55813953	0,55813953	0,55813953	0,56730769	0,57575758	0,57692308	0,00130535	0,58130535	0,58139535	0,58139535	0,60465116	0,60465116	0.60465116	0,02790698	0,651162/9	0,65116279	0,65116279	0,65116279	0,65116279	0,65116279	0,65116279	0,65116279	0,65116279	0,65116279	0,65116279	0,65116279	0,65116279	0,65883353	0,6744186	0,6744186	0.69411765	0,70588235	0,70930233	0,72093023	0,74418605	0,90697674	0.90697674	0,00020200	0,95348837	0,97674419	0,97674419	1	1	ACC_Min
0,55203747	0,76744186	0,73643411	0,66064751	0,60262089	0.62513843	0,6358/801	0,72868217	0,72868217	0,63252123	0,62550757	0,6799557	0,59819347	0,59006734	0,62468704	0,73133730	0,544//884	0,69545958	0,7113326	0,65116279	0,71077889	0.66408269	0,75193798	0,771938	0,75968992	0,79069767	0,65891473	0,7751938	0,7751938	0,7751938	0,/4232432	0,74215578	0,74215578	0,69545958	0,71889996	0,74215578	0,7380301	0,78294574	0,68752307	0.77332421	0,73830369	0,73055176	0,81395349	0,80620155	0,96899225	0.96124031	0,00,000,000	0,97674419	0,99224806	0,99224806	1	1	ACC_moy
0,59259259	0,88372093	0,8372093	0,74117647	0,73809524	0.69767442	0,70833333	0,81395349	0,81395349	0,74418605	0,69047619	0,76744186	0,625	0,61111111	0,67592593	0.60465116	0,/1/04/06	0,79069767	0,79069767	0,6744186	0,8372093	0.72093023	0,01395349	0,8372093	0,81395349	0,86046512	0,6744186	0,8372093	0,8372093	0,8372093	0,79009707	0,8372093	0,8372093	0,72093023	0,76744186	0.8372093	0,7176/106	0,8372093	0,69767442	0.82352941	0,77003	0,75294118	0,86046512	0,8372093	1	<b>1</b> 1	- ,		1	1	1	1	ACC_Max
0,07692308	0,46666667	0	0,03846154	0,13333333	0,4	LEDEDECT'D	0	0	0,36363636	0,06666667	0	0,13461538	0,16666667	0,19230769	0,14203714	0 1/08571/	60606060'0	0,26666667	0,6	0	0.14285714	0,27272727	D	0,14285714	0,57142857	0,4	0	0	0	0,33333333	0	0	0	0	0	0,13636367	0,466666667	0	0	0,11538462	0,15384615	0,28571429	0		0.57142857	_ <b>,</b>	0,85714286	0,85714286	1	1	1	Sen_Min
0,17940085	0,63174603	0,28888889	0,16265216	0,39076479	0.45656566	0,3286/133	0,2	0,15555556	0,44184704	0,23867244	0,30707071	0,21490546	0,27160494	0,334024	0,10412020	0,20538/21	0,12236652	0,63434343	0,67619048	0,30707071	0.34660895	0,40130320	0,22222222	0,27301587	0,62539683	0,60952381	0	0	0	0,43310243	0 153102/15	0	0	0,0952381	0	0,41090391	0,53650794	0,11746032	0.16835017	0,25058275	0,34252784	0,3015873	0,11111111	1	2 0.85714286	→ ,	15986/06(0	0,95238095	1	1	1	Sen_moy
0,37037037	0,71428571	0,86666667	0,22727273	0,85714286	0.733333333	0 71/122571	0,6	0,46666667	0,53333333	0,36363636	0,46666667	0,30555556	0,48148148	0,53703704	0,20000007	0,38888889	0,14285714	1	0,71428571	0,46666667	0.533333333	0.42857143	0,666666666	0,53333333	0,73333333	0,71428571	0	0	0	0.85714286	0 571/73857	0	0	0,28571429	0	0,7222222	0,57142857	0,28571429	0.27777778	0,5 0 42857143	0,55555556	0,33333333	0,33333333	1	<b>н</b> ,	- ,		. 1	1	1	1	Sen_Max
0,81481481	0,57142857	0,35714286	0,640625	0,47222222	0.42857143	0,9100000 /	0,53571429	0,60714286	0,57142857	0,61111111	0,60714286	0,94444444	0,74074074	0,81481481	0 22222220	U, /U3125	0,82142857	0,75	0,60714286	0,67857143	0.64285714	0,04203/14	0,64285/14	0,71428571	0,60714286	0,63888889	1	1	1	0,61111111	1	1	0,86111111	0,86111111	2,7 +020000	0,041/9104	0,78571429	0,77777778	0.97014925	0,850/462/	0,80597015	0,92857143	0,96428571	0,85714286	0.96428571	0,00200714	1 1236030	1	0,96428571	1	1	Spe_Min
0,92467409	0,8015873	0,78571429	0,84040734	0,71923536	0.63568868	0,94308469	0,82671958	0,8505291	0,68480116	0,78204472	0,77675371	0,98148148	0,90852974	0,91535008	0,09014013	0,80811815	0,89119304	0,7688172	0,6468254	0,81758833	0.75012801	0,01010071	0,88095238	0,86772487	0,81349206	0,69973545	1	1	1	0,00200207	0 85366357	1	0,94295102	0,9537037	1	0,85680707	0,85449735	0,90442055	0.99004975	0,90873016	0,87759033	0,95767196	0,98809524	0,95238095	0.97883598	0,00720072	0 06/138571	1	0,98809524	1	1	Spe_moy
0,98484848	0,91666667	1	1	0,93548387	0.833333333	0,980/6923	0,97222222	0,97222222	0,80555556	0,92857143	0,91666667	1	1	0,96969697	0,5722222	0,91525424	0,93548387	0,80645161	0,66666667	1	0.833333333	0,90040007	1	0,94444444	0,91666667	0,82142857	1	1	1	0,90322301	1 000300581	1	1	1	1	U 0/01232/	0,88888889	1	0,71000007 1	0,91666667	0,98305085	0,9722222	1	1	<b>1</b> ,	→ ,		1	1	1	1	Spe_Max
60606060`0	0,51904762	0,5	0,22727273	0,18181818	0.416666667	0,15909091	0,48611111	0,48611111	0,36363636	0,36363636	0,45454545	0,20454545	0,16666667	0,27272727	0,000000000	0,22/2/2/3	60606060'0	0,50833333	0,60357143	0,45454545	0.36363636	0,51309524	0,U	0,54365079	0,6702381	0,61071429	2,0	0,5	0,5	0.61309524	0 151515150	0	0	0	0	0,3535367	0,62619048	0	0.22727273	0,13035354	0,31818182	0,62896825	0,5	0,92857143	0.7718254	0,01012007	0,92857143	0,92857143	0,98214286	1	1	Bal Acc_Min
0,40304757	0,71666667	0,53730159	0,43263771	0,42938913	0.54466089	0,50/09013	0,51335979	0,50304233	0,51102694	0,43655604	0,48326118	0,46561772	0,4537037	0,50852543	0,61931217	0,42/44312	0,36601732	0,67323232	0,66150794	0,50905483	0.47994228	0,53000050	0,55158/3	0,57037037	0,71944444	0,65462963	2,0	0,5	0,5	0,57510245	0,33333333	0,33333333	0,31018519	0,35780423	0.333333333	0,71563158	0,69550265	0,35502646	0.45041208	0,45082664	0,52246439	0,62962963	0,54960317	0,97619048	0.91798942	0,7619048	0,95396825	0,97619048	0,99404762	1	1	Bal Ann mav
0,59259259	0,81547619	0,61190476	0,55140962	0,66468254	0.63636364	0,/0833333	0,56785714	0,53690476	0,61706349	0,49761905	0,53690476	0,625	0,61111111	0,67592593	0.63492063	0,59/42952	0,5297619	0,875	0,69047619	0,57261905	0.58809524	0,71020304	0,654/619	0,62380952	0,74404762	0,6765873	2,0	0,5	0,5	0 73412698	0,500028005	0,5	0,5	0,5734127	0.5	0,05202013	0,73015873	0,53333333	0.62396352	0,67261905	0,68076285	0,63095238	0,64880952	1	1,	- ,		1	1	1	1	Bal Ann Max

Annexe 2 : Performances de l'analyse de texture de tous les modèles de classification – Partie 1

Tous	Tous	Lasso	Tous	mRMRe	Lasso	mRMRe	Tous	Lasso	mRMRe	Tous	Lasso	Boruta	Tous	mRMRe	Lasso	Tous	Boruta	Tous	mRMRe	Tous	mRMRe	Tous	mRMRe	Boruta	mRMRe	mRMRe	Tous	Tous	Boruta	Tous	Tous	Lasso	Lasso	Boruta	Boruta	mRMRe	Tous	Tous	Lasso	Lasso	Lasso	Lasso
1	1	0	1	1	1	0	1	1	1	1	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	0	1	1	1	1	1	1	1	0	0	1	1	0	0	0
		SMOTE				SMOTE	SMOTE	SMOTE	SMOTE	SMOTE	SMOTE	SMOTE	SMOTE	SMOTE	SMOTE		SMOTE	SMOTE	SMOTE	SMOTE	SMOTE	SMOTE	SMOTE	SMOTE	SMOTE	SMOTE	SMOTE	SMOTE	SMOTE	SMOTE	SMOTE	SMOTE	SMOTE	SMOTE	SMOTE	SMOTE	SMOTE	SMOTE	SMOTE		SMOTE	SMOTE
0	0	1	0	0	0	2	ц	2	2	2	2	2	2	1	ц	0	Ч	ц	2	2	Ц	-	2	1	ц	2	2	ч	ч	2	ч	2	ч	2	ц	1	ц	ч	2	0	2	ц
SVM	NB	Lasso	Ŗ	NB	NB	NB	NB	NB	NB	KNN	Lasso	NB	NB	NB	KNN	NB	NB	KNN	KNN	KNN	Ŗ	SVM	Ŗ	KNN	Ŗ	쮸	SVM	NB	NB	Ŗ	Ŗ	쮸	쮸	RF	Ŗ	KNN	Ŗ	MAS	Lasso	KNN	NB	NB
0,162	0,162	0,162	0,2117	0,2325	0,2325	0,2380	0,2619	0,2619	0,3023	0,3023	0,3488	0,3571	0,3953	0,3953	0,3953	0,4418	0,4418	0,4418	0,4418	0,4523	0,4545	0,4651	0,4696	0,4761	0,4772	0,4814	0,4883	0,4883	0,4883								0,5113	0,5116	0,5116	0,5116	0,5238	0,5238
7907	7907	7907	6471	5814	5814	9524	0476	0476	2558	2558	3721	4286	4884	4884	4884	6047	6047	6047	6047	2608	4545	1628	9697	9048	7273	8148	7209	7209	7209	0,5	0,5	0,5	0,5	0,5	0,5	0,5	6364	2791	2791	2791	0952	0952
0,3255	0,25784	0,41657	0,30880	0,45496	0,48597	0,41269	0,46714	0,42838	0,50073	0,37541	0,64138	0,52990	0,55629	0,59376	0,45293	0,57954	0,57844	0,56349	0,52417	0,5073	0,51583	0,57364	0,49820	0,53857	0,54406	0,51266	0,51937	0,55444	0,52344			0,54545	0,59848	0,53900	0,628	0,58527	0,57358	0,57364	0,68770	0,61000	0,56995	0,55444
5814	1422	7438	0073	5493	7268	9841	1655	3686	3828	1528	3058	0033	9384	5154	3466	2965	1223	9206	7866	3828	3139	1341	3858	7512	5242	5943	7984	1814	1038	0,5	0,5	5455	3485	0112	3367	7132	3845	1341	0764	0369	5201	1814
0,65116	0,34883	0,73809	0,45882	0,69047	0,69047	0,62790	0,65116	0,6744	0,60465	0,42857	0,8372	0,81395	0,76190	0,79069	0,53488	0,76190	0,6744	0,69047	0,61904	0,58139	0,58333	0,62790	0,51851	0,62790	0,59722	0,56410	0,53488	0,65116	0,55813			0,58333	0,67045	0,60185	0,70454	0,65116	0,68055	0,69767	0,8372	0,69047	0,60465	0,58139
279	721	524	353	619	619	869	279	186	116	143	093	349	1476	767	372	1476	186	619	762	535	333	869	.852	869	222	1256	1372	279	953	0,5	0,5	333	455	185	545	279	556	442	093	619	116	535
			0,88461	0,09090	0,26666		0,14285	0,13333	0,13333	60606'0			0,09090	0,14285	0,45454	0,18181	0,28571	0,54545	0,33333	0,45454	0,01923		0,01282	0,57142	0,09090	0,12121		0,45454	0,71428							0,45454	0,05769	0,33333		06060'0	0,14285	
0	1	0	538	606	667	0,4	714	333	333	091	0	0	606	714	545	818	429	455	333	545	077	0,6	051	857	606	212	0,4	545	571	1	1	0	0	0	0	545	231	333	0	606	714	0,4
0,66666		0,66666	0,96153	0,56363	0,54343	0,57056	0,44761	0,57258	0,52929	0,96969	0,33333	0,59191	0,51919	0,59307	0,56421	0,36536	0,51544	0,59451	0,60894	0,61183	0,19159	0,77142	0,16420	0,6025	0,19269	0,13062	0,60952	0,65310	0,79163			0,11616	0,2516	0,24017	0,37373	0,56421	0,20525	0,77777	0,02222	0,26204	0,26378	0,42770
667	1	667	846	636	434	277	905	297	293	697	333	919	192	359	356	797	012	659	661	261	544	857	616	974	619	246	381	245	059	1	1	162	835	957	737	356	771	778	222	906	066	563
						0,85714;		0,85714;				0,909090			0,666666	0,71428	0,72727:	0,666666	0,85714;	0,71428	0,30555	0,85714;	0,388888	0,636363	0,333333	0,14102	0,71428	0,933333	0,933333			0,181810	0,47727;	0,46296;	0,70454	0,666666	0,44444		0,066666	0,42857:	0,46666	0,45454!
1	1	1	1	1	1	286	1	286	1			091	1	1	667	571	273	667	286	571	556	286	889	364	333	564	571	333	333	1	1	818	273	296	545	667	444	1	667	143	667	545
				0,08333	0,08333	0,16129		0,09677	0,16666	0,07142		0,16129	0,27777	0,07142	_	0,38888	0,47222	0,41666	0,44444	0,39285	0,65909	0,39285	0,64814	0,41935	0,86111	0,83333		_	_			0,92424	0,86363	0,74074	0,70454	0,51612	0,90909	0,41666	_	0,64285	0,64516	0,5483
0	0	0	0	333	333	032	0	419	667	857	0	032	778	857	0,25	889	222	667	444	714	091	714	815	484	111	333	0,5	0,25	0,25	0	0	242	636	074	545	903	091	667	0,75	714	129	871
0,33333		0,33333	0,09039	0,44790	0,52278	0,3672	0,48280	0,43701	0,5563	0,16538	0,66666	0,43736	0,60449	0,52291	0,39904	0,69030	0,60095	0,55286	0,51911	0,4666	0,84006	0,51984	0,832	0,50750	0,89542	0,89471	0,51190	0,48835	0,40979			0,97474	0,9452	0,83782	0,88299	0,58474	0,94191	0,57539	0,90591	0,73758	0,66346	0,60078
333	0	333	548	067	546	555	423	997	236	658	667	132	735	347	421	551	579	738	589	752	734	127	211	981	865	639	476	125	689	0	0	747	862	267	663	142	919	683	398	321	646	512
			0,27118	0,90322	0,80645	0,58333	0,89285	0,96428	0,85714	0,25806		0,97222		0,91666	0,52777	0,96774	_	0,74193	0,61290	0,55555		0,58333		0,63888	0,96153	0,98717	0,53571	0,66666	0,52777							0,66666		0,89285		0,90322	0,67857	0,64285
1	0	1	644	581	161	333	714	571	286	452	1	222	1	667	778	194	0,75	548	323	556	1	333	1	688	846	949	429	667	778	0	0	1	1	1	1	667	1	714	1	581	143	714
				0,09090	0,36363	0,37857	0,34920	0,54880	0,45454	0,53571		0,48611	0,09090	0,5297	0,45454	0,18181	0,37896	0,49404	0,41666	0,45454		0,49642	0,09090	0,53214	0,09090	0,12121	0,46785	0,45454	0,59166			0,18181	0,47727	0,25757		0,45454	0,11363	0,61309		0,09090	0,18181	0,45454
0,5	0,5	0	0,5	606	636	143	635	952	545	429	0	111	909	619	545	818	825	762	667	545	0,25	857	606	286	606	212	714	545	667	0,5	0,5	818	273	576	0,5	545	636	524	0	606	818	545
	0,66666	0,33333	0,69263	0,3703	0,45930	0,51778	0,63187	0,60988	0,51103	0,67604	0,33333	0,63927	0,41032	0,56727	0,48749	0,39684	0,58263	0,54094	0,56794	0,53974	0,44764	0,64563	0,37194	0,59122	0,41527	0,38893	0,56071	0,55508	0,64665	0,66666	0,66666	0,42171	0,53409	0,45314	0,628	0,56421	0,44101	0,6765	0,30277	0,36443	0,38639	0,4986
0,5	667	333	364	824	736	499	831	456	896	618	333	369	949	994	399	945	588	517	132	266	957	492	596	174	454	206	429	658	705	667	667	717	091	254	367	356	269	873	778	001	971	051
				0,54166	0,54166	0,7202		0,72727.	0,58333	0,909090		0,90909	0,63888	0,63636	0,54960.	0,5515	0,72727	0,58333	0,65079.	0,63492	0,58333	0,7202	0,51851;	0,63636	0,59722.	0,56410	0,60714;	0,61904	0,72727			0,58333	,0	0,60185	0,70454	0,61904	0,68055.	0,70833;		0,54761:	0,57261	0,52142
0,5	ч	0,5	1	567	567	381	1	273	333	091	0,5	091	889	364	317	873	273	333	365	063	333	381	852	364	222	256	286	762	273			333	525	185	545	762	556	333	,5	905	905	857

Annexe 3 : Performances de l'analyse de texture de tous les modèles de classification – Partie 2

# SERMENT D'HIPPOCRATE

En présence des Maîtres de cette FACULTE et de mes chers CONDISCIPLES, je promets et je jure d'être fidèle aux lois de l'Honneur et de la Probité dans l'exercice de la Médecine.

Je donnerai mes soins gratuits à l'indigent et je n'exigerai jamais un salaire au-dessus de mon travail. Admis dans l'intérieur des maisons, mes yeux ne verront pas ce qui s'y passe, ma langue taira les secrets qui me seront confiés et mon état ne servira pas à corrompre les mœurs ni à favoriser le crime.

Respectueux et reconnaissant envers mes MAÎTRES, je rendrai à leurs enfants l'instruction que j'ai reçue de leurs pères.

Que les HOMMES m'accordent leur estime si je suis fidèle à mes promesses. Que je sois couvert d'OPPROBRE et méprisé de mes confrères si j'y manque.

# SERMENT D'HIPPOCRATE

Au moment d'être admis(e) à exercer la médecine, je promets et je jure d'être fidèle aux lois de l'honneur et de la probité.

Mon premier souci sera de rétablir, de préserver ou de promouvoir la santé dans tous ses éléments, physiques et mentaux, individuels et sociaux.

Je respecterai toutes les personnes, leur autonomie et leur volonté, sans aucune discrimination selon leur état ou leurs convictions. J'interviendrai pour les protéger si elles sont affaiblies, vulnérables ou menacées dans leur intégrité ou leur dignité. Même sous la contrainte, je ne ferai pas usage de mes connaissances contre les lois de l'humanité.

J'informerai les patients des décisions envisagées, de leurs raisons et de leurs conséquences.

Je ne tromperai jamais leur confiance et n'exploiterai pas le pouvoir hérité des circonstances pour forcer les consciences.

Je donnerai mes soins à l'indigent et à quiconque me les demandera. Je ne me laisserai pas influencer par la soif du gain ou la recherche de la gloire.

Admis(e) dans l'intimité des personnes, je tairai les secrets qui me seront confiés. Reçu(e) à l'intérieur des maisons, je respecterai les secrets des foyers et ma conduite ne servira pas à corrompre les mœurs.

Je ferai tout pour soulager les souffrances. Je ne prolongerai pas abusivement les agonies. Je ne provoquerai jamais la mort délibérément.

Je préserverai l'indépendance nécessaire à l'accomplissement de ma mission. Je n'entreprendrai rien qui dépasse mes compétences. Je les entretiendrai et les perfectionnerai pour assurer au mieux les services qui me seront demandés.

J'apporterai mon aide à mes confrères ainsi qu'à leurs familles dans l'adversité.

Que les hommes et mes confrères m'accordent leur estime si je suis fidèle à mes promesses ; que je sois déshonoré(e) et méprisé(e) si j'y manque.

### Evaluation des performances de différentes méthodes de classification par analyse de texture pour différencier adénome hépatocellulaire et hyperplasie nodulaire focale

### CONTEXTE

Les adénomes et les hyperplasies nodulaires focales (HNF) constituent deux types de tumeurs hépatocytaires bénignes. Bien qu'ayant une pathogénie différente, ces lésions présentent des similitudes. Leur différenciation est primordiale compte tenu des implications cliniques. La mesure quantitative des paramètres de texture permet d'étudier l'hétérogénéité tumorale et semble émerger comme un véritable biomarqueur tumoral.

#### OBJECTIF

Le but de notre étude est de proposer un algorithme de classification par analyse de texture pour différencier adénome et HNF en se basant sur les images IRM après injection de Gadobenate de dimeglumine.

Nous avons également étudié les capacités de ces algorithmes pour sous-typer les adénomes.

#### MATERIEL ET METHODES

Cette étude monocentrique rétrospective a analysé 128 lésions chez 91 patients. 4 méthodes de selection (LASSO, Boruta, Relief, mRMRe et aucune) et 5 méthodes de classification (SVM, Random Forest, KNN, LASSO, Naive Bayes) ont été comparées, avec ou sans normalisation des données. Les performances des meilleures méthodes de classification ont également été testées pour sous-typer les adénomes. Enfin nous avons testé les performances du rapport LLCER.

#### RESULTATS

Les meilleurs résultats ont été obtenus après normalisation des données et utilisation de la méthode de classification KNN (Performance minimale moyenne 0.95 ; range 0,91-1).

Les performances de classification pour les sous-types d'adénomes stéatosiques et inflammatoires ont été calculées à 0.94 (range 0.83-1).

Les performances de classification du LLCER ont été évaluées en moyenne à 0.80.

#### CONCLUSION

L'analyse de texture en complément de l'étude qualitative de l'IRM avec phase hépato-biliaire présente un réel intérêt pour la différenciation des adénomes et des HNF. En effet les méthodes de classification à l'aide du modèle KNN après normalisation des paramètres ont montré dans notre étude de très bonnes performances (Performance minimale moyenne 0.95 ; range 0,91-1).

L'intérêt pour la classification des sous types d'adénome nécessite des investigations supplémentaires mais montre déjà dans cette étude des résultats encourageants.

#### Mots-clés :

Analyse de texture, Adénome hépatocellulaire, Hyperplasie nodulaire focale, IRM